

Agro Box

構造ベース創薬 (SBDD) のための

タンパク質/核酸の結晶構造解析



AgroDesign Studios®について

きっかけは分子標的『農薬』のためのタンパク質構造解析
株式会社アグロデザイン・スタジオは、構造ベース創薬法（**Structure-Based Drug Design: SBDD**）を中心に、タンパク質構造解析のトータルソリューションを提供する会社です。当社は、2018年3月に茨城県つくば市で創業されました。現在は、千葉県柏市の東京大学柏IIキャンパス内のベンチャー・インキュベーション施設内に自社ラボを備えております。創業時から続く当社の主力事業は、SBDDによる分子標的『農薬』の創薬になります。創業者である当社代表取締役社長の西ヶ谷有輝は、構造生物学者として溶液NMR法およびX線結晶回折法によるタンパク質立体構造解析を活用した農薬の開発を行ってまいりました。農薬は、環境中の多種多様な防除対象生物に効く必要があるため、ヒトという生物1種を対象にすればよい医薬品開発と比べ、構造解析が必要なタンパク質（ホモログ）の数が格段に多いという特徴があります。そのため、当社はタンパク質構造解析に力を入れて参りました。その結果、国内でもトップクラスの構造生物学研究者チームと構造解析数を誇る会社となりました。

AgroBox®で誰でも手軽に構造解析を

タンパク質の構造解析は、医薬・農薬の創薬や酵素の改変などにおいてパワフルなツールです。しかし、解析を行うためには高度な専門知識を必要とし、熟練の構造生物学者の職人芸に頼る必要があります。当社では、誰でも手軽に構造解析をしていただきたいという思いから、構造解析に必要な測定や作業をパッケージ化（Box化）し、必要サンプルや情報を送るだけでタンパク質の構造解析ができる AgroBox®をリリースいたしました。

自社創薬で培われた技術をみなさまに

当社では、日々自社の創薬パイプラインとして農薬のSBDDを行っています。農薬SBDDは、医薬よりも格段に難しく、まだ始まったばかりの分野であることから、世界中のどこにも十分なノウハウがありません。当社では、医

薬の創薬で用いられるタンパク質構造解析の最新の知見（クライオ電子顕微鏡、AI創薬など）を導入すると同時に、自ら構造解析の技術開発も行っています。これら技術やノウハウを AgroBox®として提供いたします。

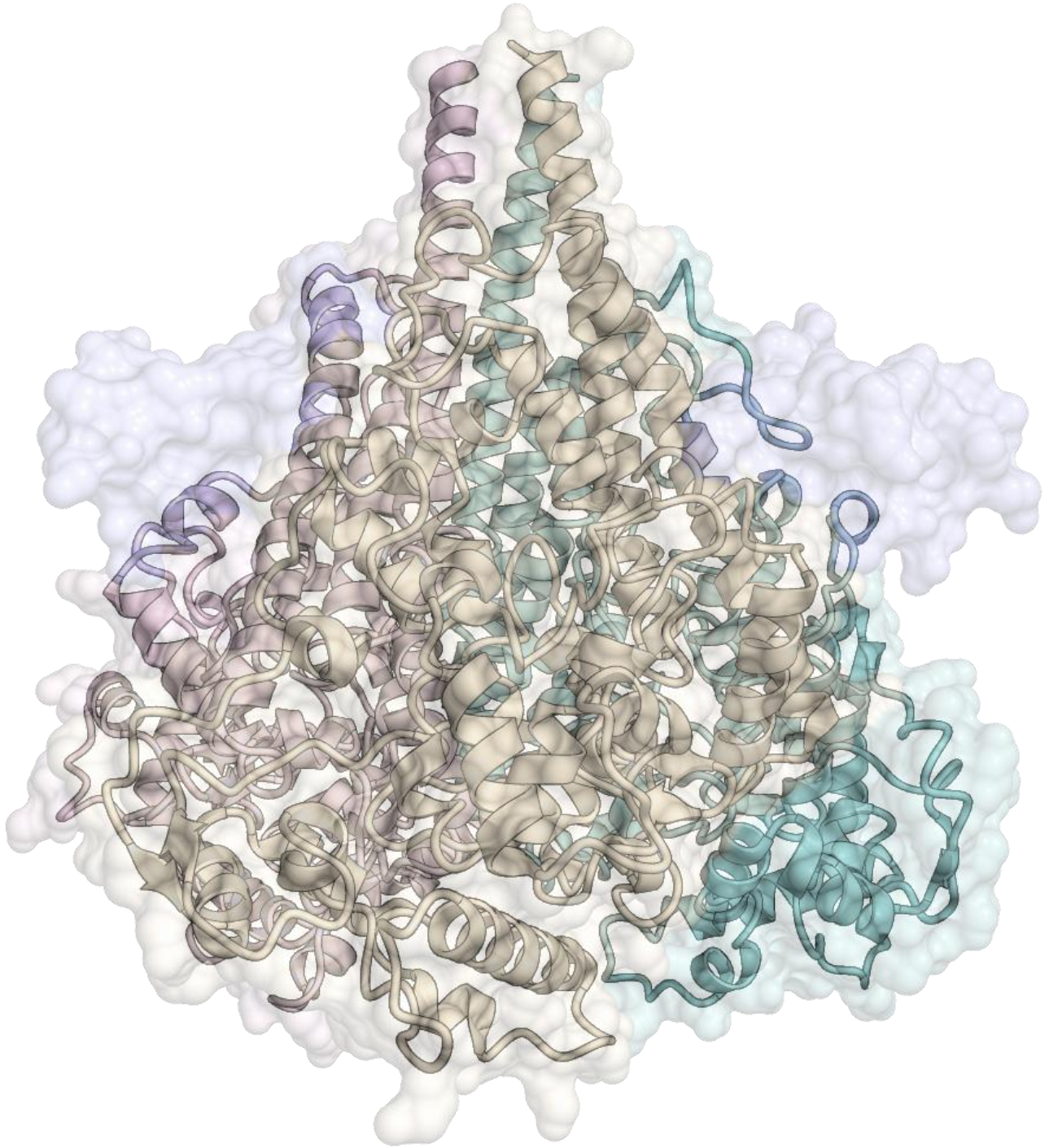
タンパク質/核酸構造データで産業にイノベーションを

タンパク質や核酸の構造データは、これまでに医薬・農薬・工業用酵素産業などに活用されてきました。Protein Data Bank (PDB) にはアカデミアを中心に構造解析されたタンパク質などの構造が約20万種以上も登録されています。しかし、まだまだ自社で構造解析を実施できる会社や、構造情報を活用できる会社は限られており、PDBのデータが十分に産業応用されているとは言えません。当社では、タンパク質構造データを活用した産業イノベーションのお手伝いをさせていただきます。



目次

AgroDesign Studios® について.....	2
Biology by 3D Design ～タンパク質構造データを活用し新たなイノベーションを～.....	5
1. タンパク質構造解析が活躍する産業領域.....	6
2. タンパク質構造解析の3つの手法.....	7
3. 核酸の構造解析が活躍する領域.....	8
4. 構造ベース創薬に必要な分解能.....	10
5. アグロデザイン・スタジオの構造活用例.....	12
6. アグロデザイン・スタジオの構造解析実績.....	14
AgroBox®の2つのサービス	18
AgroBox® 海外放射光測定サービス	19
ESRF 測定サービスの特徴	20
AgroBox® タンパク質/核酸の結晶構造解析 フルサービス	23
1. AgroBox®フルサービス 構造解析をパッケージ化	24
2. AgroBox®フルサービスファミリー	25
3. おすすめセット（タンパク質の構造解析）	28
4. おすすめセット（核酸の構造解析）	30
5. AgroBox®フルサービスご利用方法	32
6. サンプルの安全性をご確認ください.....	34
AgroBox®結晶構造解析 タンパク質結晶化/核酸結晶化 フルサービス内容詳細	37
AgroBox® No.1 結晶化スクリーニング.....	38
AgroBox® No.2 結晶化条件の最適化.....	42
AgroBox® No.3 フルデータ測定用結晶の準備.....	44
AgroBox® No.4 フルデータ測定	46
AgroBox® No.5 X線回折データ処理.....	48
AgroBox® No.6 構造モデリング	50
AgroBox® No.7 リガンド複合体解析.....	52
AgroBox® Professional	55
AgroBox® Pro α 実験位相決定.....	56
AgroDesign × BioStartup Collaboration	59
AgroDesign Studios × ANPLAT.....	60
今後販売予定の AgroBox®	62
会社概要	63



研究写真ギャラリー：農薬ターゲットタンパク質のX線結晶構造解析

Biology by 3D Design

～タンパク質構造データを活用し新たなイノベーションを～



1. タンパク質構造解析が活躍する産業領域

Biology by 3D Design

タンパク質の機能制御技術（機能阻害や活性向上）は、医薬・農業（農薬）・食品産業・製造業（酵素的物質生産）などにおいて多様な貢献をしています。タンパク質は、DNA 配列に基づいて数十～数百個のアミノ酸が直鎖状に繋がった物質ですが、この鎖が折りたたまれて三次元の立体構造を形成します。タンパク質構造解析によって三次元立体構造が判ると、タンパク質に結合することで活性や相互作用を制御する物質（低分子化合物、中分子のペプチド/核酸、高分子の抗体など）の設計や、タンパク質自身のアミノ酸配列を変異させることによる機能改変が可能になります。

医薬市場：低分子薬

タンパク質立体構造の代表的な活用例が、医薬における分子標的薬（低分子化合物）の探索や設計です。タンパク質立体構造情報を活用した薬剤の探索や設計は、構造ベース創薬（Structure-Based Drug Design：SBDD）と呼ばれています。

SBDD は、新規化合物の探索と、化合物の最適化で力を発揮する手法です。新規化合物の探索では、まず標的タンパク質の構造解析を行い、そのデータを用いて化合物データライブラリ（市販化合物ライブラリ、各社の社内ライブラリなど）に対し、ドッキング・シミュレーションなどの *in silico* スクリーニングを行います。化合物の最適化の段階では、*in silico* スクリーニングでヒットした化合物と標的タンパク質の複合体の構造解析を行い、その構造情報をもとに化合物の改良を行います。このとき、合成する前に計算機シミュレーションにより活性の有無がある程度予測できるため、無駄な合成を削減できる利点があります。

医薬市場：新規モダリティ・酵素

医薬研究における SBDD は、低分子化合物だけではなく、中分子（ペプチド・核酸など）、高分子（抗体など）など

の新規モダリティにおけるアフィニティー向上に役立てられています。また、酵素製剤においては、構造ベースでの酵素の活性改良なども行われています。



農業業界：低分子創薬（構造ベース創農薬 SBDD）

SBDD は、9 兆円産業である農薬にも適用可能です。当社は農薬 SBDD に最も積極的に取り組んでいる会社の一つですが、農薬には医薬とは異なった難しさがあります。医薬ではヒトという1種の生物に対して作用すればよいですが、農薬は農地の多種多様な防除対象生物に効く必要があります。生物種が違えば、標的タンパク質の構造も異なるため、多数のホモログタンパク質の構造をもとに化合物設計を行う必要があり、構造解析力が試される分野です。



工業用酵素市場（食品用、洗剤用など）

工業用酵素市場は、7 千億円の市場規模があり、成長産業です。なかにはアミノ酸配列を改変した遺伝子組換え酵素もあり（国内登録数 59 種類、令和 3 年度 厚生労働省）、洗剤や食品の加工などに活用されています。酵素の立体構造が分かれば、効率的な機能の改良が可能です。



2. タンパク質構造解析の3つの手法

タンパク質構造解析に利用される3つの手法

タンパク質の立体構造解析法は、主に X 線結晶構造解析、クライオ電子顕微鏡解析、核磁気共鳴法 (NMR) の3種類があります。それぞれに一長一短があるため、各手法の特徴を理解したうえで、利用する必要があります。

X 線結晶構造解析の特徴

X 線結晶構造解析は、創薬で最も使われている手法です。この手法では、タンパク質を結晶化した後に、X線を照射し、その回折像から構造解析を行います。結晶化が可能なタンパク質のみに適用可能な手法ですが、分子量の制限が無いことや、高いスループット性など他の手法より優れた点があります。

創薬用途での X 線結晶構造解析の最も大きな利点は、やはり高いスループット性です。X 線回折測定に必要な時間は5分程度であり、データ処理も数分で完了する場合があります。結晶化条件が決まれば、そこに化合物を添加することより、多数のタンパク質-化合物複合体の測定実験が容易に実施可能です。そのため、多数の化合物とタンパク質複合体の測定が必要な創薬にとって大きな利点です。さらに近年、放射光ビームライン、X 線検出器、解析ソフトウェアなどの高度化や自動化が進んでおります。これにより、X 線結晶測定や解析にかかる時間がより短縮されており、ますます便利になっています。当社では、毎週1シフト (8 時間) 程度のビームタイムを確保し、農薬開発や AgroBox®においてルーチン的に利用しています (図 1)。

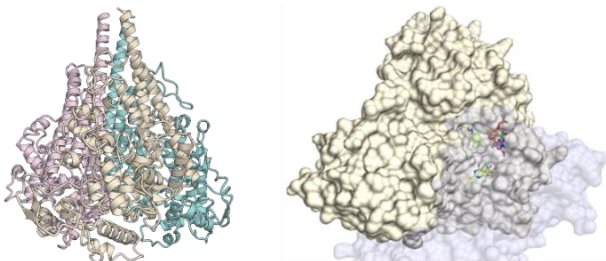


図 1 X 線結晶構造解析法で決定した酵素の構造

クライオ電子顕微鏡の特徴

クライオ電顕解析は、近年の装置や解析技術の発展に伴い、爆発的に普及した手法です。この手法は、比較的大きな分子量 (100 kDa 以上程度) の対称性のあるタンパク質の構造解析に向いています。また、結晶化が不要であるため、膜タンパク質をはじめとする結晶化が困難なタンパク質でも構造解析が可能です。一方、測定に半日以上かかることも多いため、多数の化合物とタンパク質の複合体構造解析を行う用途にはあまり向きません。そのため、*in silico* スクリーニング目的で結晶化が困難なタンパク質の構造解析を行う場合や、非 SBDD 手法で最適化された化合物の結合様式の確認などに適しています。当社では、これまでに可溶性の農薬ターゲットタンパク質の解析実績があり、クライオ電顕解析例の中では高分解能の 1.7 Å 程度の構造を取得し、創農薬に生かしています。

※クライオ電顕の AgroBox®については別途お問合せ下さい。

溶液 NMR の特徴

NMR 法は、高感度な相互作用解析や構造変化の解析を得意としています。2000 年代頃までは、NMR を用いたタンパク質の構造解析も盛んに行われてきました。しかし、おおよそ 30 kDa 以下の分子量のタンパク質にしか適用できないこと、薬剤が結合した複合体構造を直接得ることが困難であること、測定に時間を要することから、次第に結晶構造解析やクライオ電顕解析が主流となってきました。

一方で創薬においては、感度と再現性の高さから、タンパク質-リガンド相互作用解析に活用されています。特に ¹⁹F-NMR と呼ばれるフッ素含有化合物に対するライブラリースクリーニングや相互作用解析は、他のアッセイや物理化学的手法より高感度で信頼性の高い手法として用いられています。当社においても、など等温滴定カロリメトリー (ITC) や表面プラズモン共鳴 (SPR) に適さないサンプルの相互作用解析などに利用しています。

※溶液 NMR の AgroBox®については、別途お問合せ下さい。

3. 核酸の構造解析が活躍する領域

核酸の立体構造決定の重要性

核酸の構造解析は、核酸そのものを投与する核酸医薬品（アンチセンス核酸、siRNA、アプタマー）や、核酸を創薬標的とする低分子化合物の創薬などにおいて重要です。例えばアプタマーは、特定の立体構造を形成し、標的タンパク質に結合してその機能を阻害するため、立体構造を考慮した配列設計が必要です。また近年 mRNA は、塩基配列という一次元情報だけでなく、部分的に立体構造をとることが明らかになり、構造ベース創薬法（SBDD）の標的分子として注目されています。このように、タンパク質を標的とする低分子薬や抗体医薬と同様に、核酸医薬の合理的設計を行う上で、核酸の立体構造情報は重要です。

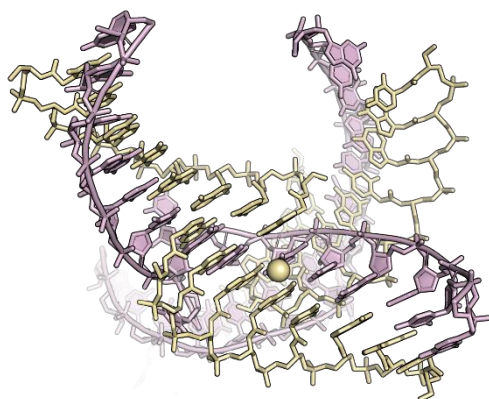


図 2 RNA 人工核酸複合体の構造例 (PDB: 7BPG)

※弊社研究者がアカデミア在籍時に解析した例

核酸の立体構造予測および構造解析の現状

核酸の立体構造解析では、核酸医薬品や核酸を標的とした医薬品の開発では、立体構造決定がボトルネックのひとつとなっています。タンパク質と比較して核酸では、配列から立体構造を精度よく予測することが困難であるという問題があります。2 本鎖 DNA の様な単純な核酸であれば比較的精度よく立体構造を予測することが可能ですが、特殊な立体構造を持つ RNA や G4（グアニン四重鎖）などの核酸の立体構造を予測することは一般的に困難です。さら

に、同じ配列を持つ核酸であっても結合する物質の有無などで容易に大きな構造変化を引き起こして異なる立体構造をとるようになるため、さらに予測が困難になります。

この予測の困難さは、現在 PDB に登録されている核酸データの少なさに起因します。近年開発されたタンパク質の立体構造予測プログラムでは、PDB に登録された膨大なタンパク質構造データを用いることにより高精度な予測を可能にしていますが、核酸の立体構造データはわずか全体の 8%程度でしかなく、圧倒的にデータが少ないために予測が困難であると考えられます。こうしたことから、核酸分子の立体構造解析の実験は、タンパク質よりも更に重要になります。事実、新たな創薬モダリティとして注目が高まったこともあり、PDB への登録数が近年増加する傾向にあります（図 3）。

核酸に適した結晶化実験方法

核酸の X 線結晶構造解析では、10 塩基前後の小さな核酸（DNA2 重鎖、DNA/RNA2 重鎖、グアニン 4 重鎖など）から 100 塩基を超える様な RNA アプタマーなど、様々なサイズの核酸の立体構造解析が実施可能です。核酸単独の結晶化実験では、PEG や MPD 等を沈殿剤とする生体高分子用の結晶化スクリーニングキットが使えますが、本サービスでは核酸専用のスクリーニングキットも多数取り揃えています（追加 Box 1E 計 480 条件）。また結晶化作業は、20°C で長期間（数日～1 ヶ月）のインキュベーションを行うため、RNase がコンタミすると RNA が分解する可能性があるため、RNase Free 環境を整えています（追加 Box 1, 2, 3, 7RF/RNase Free 作業オプション）。核酸の立体構造解析ではモデル分子構造を使わない実験的位相決定法（AgroBox® Pro α でサービス提供中）を用いる必要が出てくる場合があるため、より専門的な結晶構造解析の知識が必要です。当社では、核酸の構造解析経験のある研究者が在籍しておりますので、そのノウハウを活用して核酸の構造解析サービスを提供します。

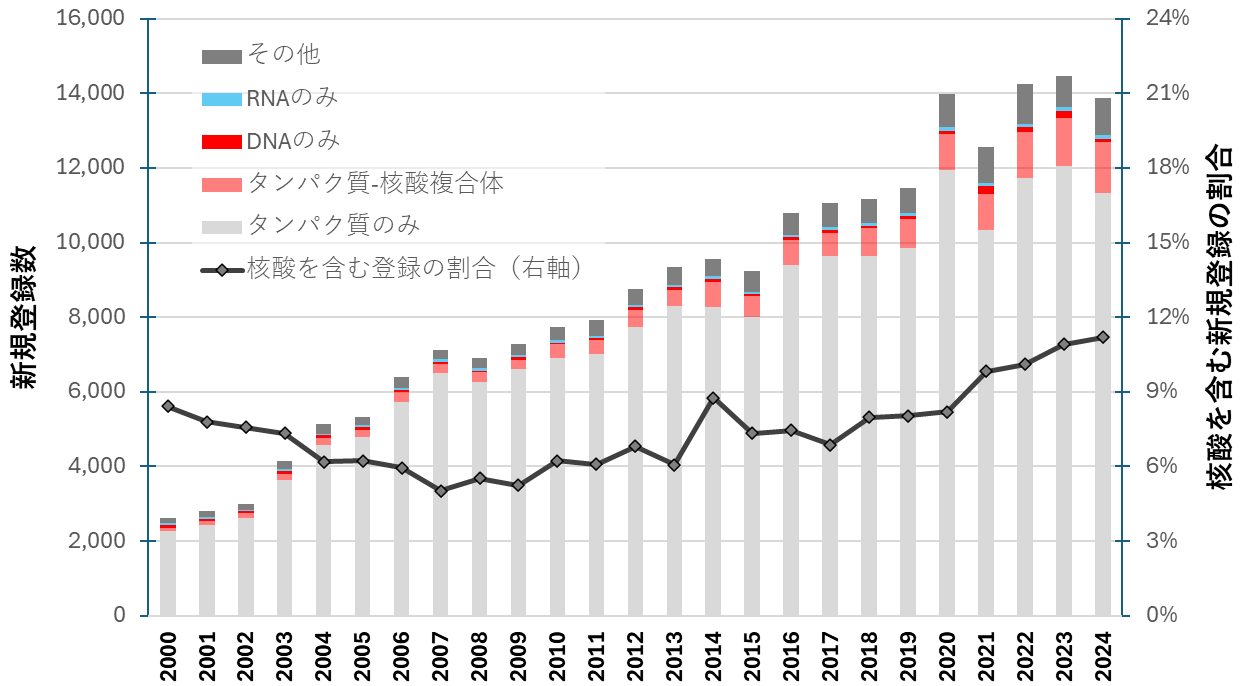


図 3 PDB における年ごとの新規登録数と核酸を含む新規登録の割合 (2024 年 11 月末時点)

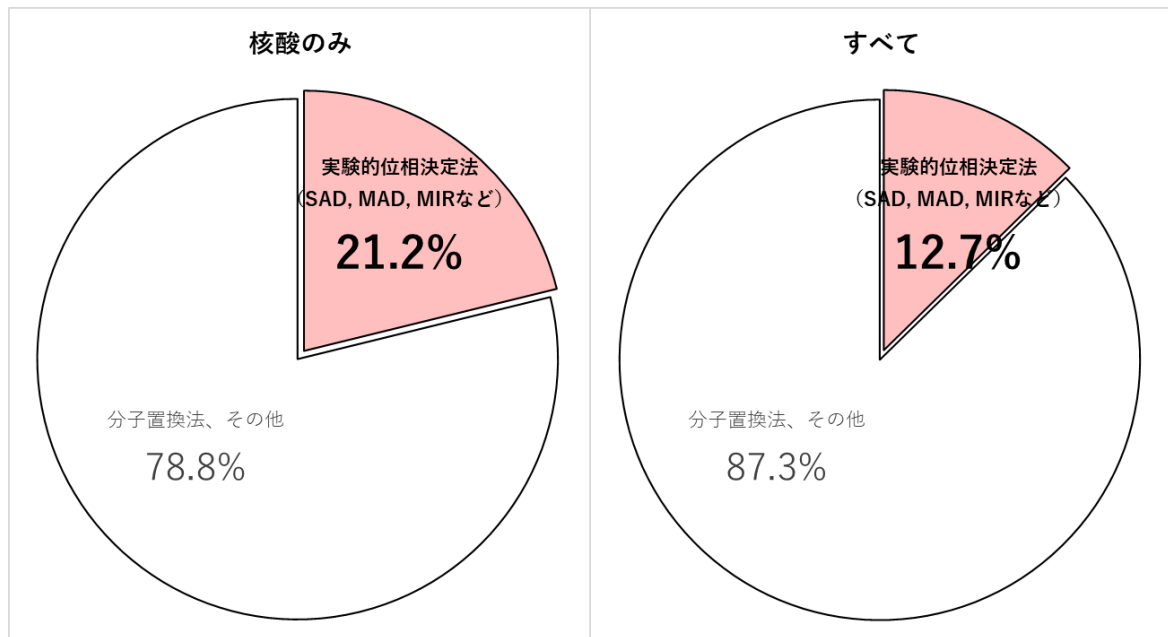


図 4 核酸の結晶構造解析では実験的な位相決定が必要になる場合も多い (2024 年 11 月末時点)

4. 構造ベース創薬に必要な分解能

X線結晶構造解析とクライオ電子顕微鏡の分解能

現在 PDB に登録されている X 線結晶構造とクライオ電子顕微鏡構造の分解能の分布をみると、X 線結晶構造の 85% 以上は 2.5 Å よりも高分解能(良い分解能/数値が小さい)であることがわかります。一般的に 2.7 Å 程度の分解能があれば創薬に利用できることが多いため、多くの PDB 構

造は創薬に十分な分解能の構造が登録されていると言えます。なお、分解能の定義は異なりますが、クライオ電子顕微鏡構造では、2.5 Å 分解能を切るような構造は、PDB 登録構造のうち約 10% となっています。

※クライオ電子顕微鏡が得意とする膜タンパク質の解析では、X 線結晶構造解析においても高分解能を得るのが難しいことには留意が必要です。

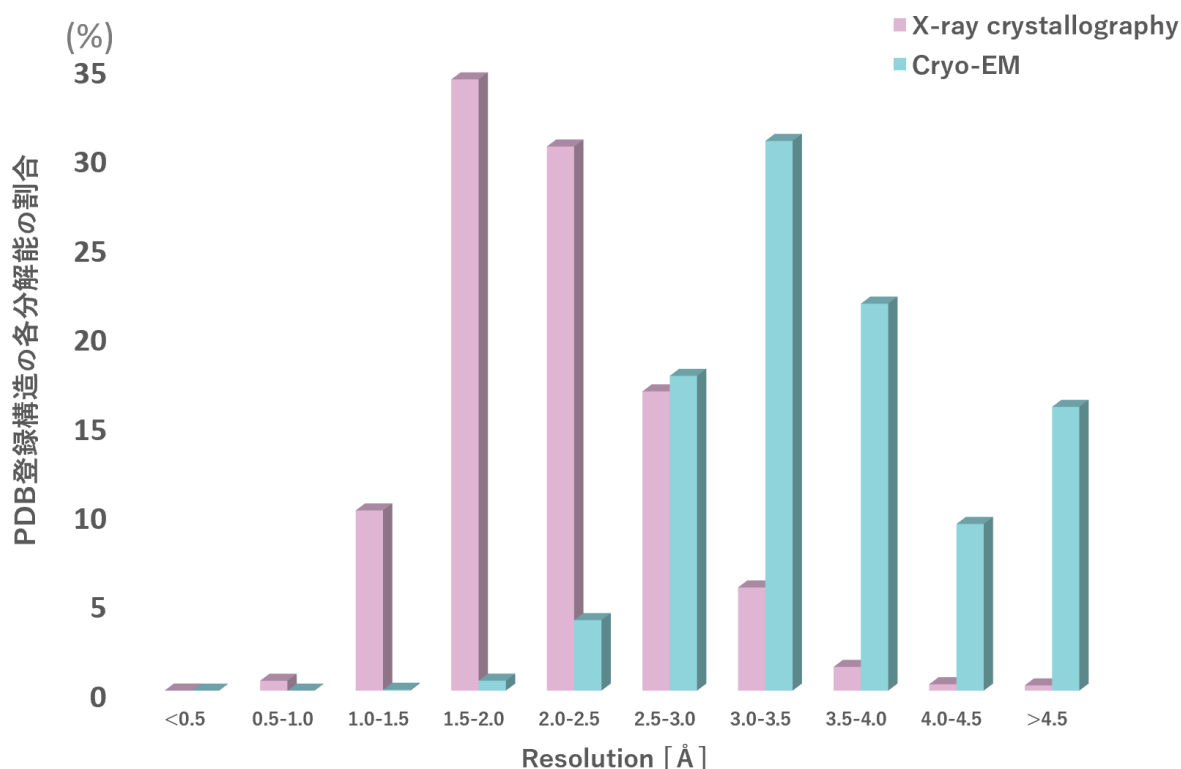


図 5 PDB 登録された X 線結晶構造およびクライオ電顕微鏡構造の分解能の分布 (注: 縦軸は相対値です)。

結晶構造の分解能と化合物電子密度の見え方

X 線結晶構造解析では、高分解能データを用いることにより、より高い精度と信頼性のある結果が得られます。例えば HIV-1 protease は、複数の研究グループから様々な分解能の結晶構造が登録されているため、各分解能における電子密度マップを比較するには最適の対象です。

図 6 では右側ほど高分解能(良い分解能/数値が小さい)となるよう電子密度マップを並べてあります。図の左側の低分解能(悪い分解能/数値が大きいの)の電子密度マップを使用して分子モデルを構築する場合、その位置情報に不確

かさが生じ、モデル構築に研究者のバイアスが影響する可能性があります。一方で、高分解能の電子密度マップを使用すれば、研究者のバイアスのない確定的な分子モデルの構築ができると考えられます。そのため、構造ベース創薬では、2.5~2.7 Å 分解能のデータを取得することが一つの目安と考えることができます。一方で、酵素の反応機構解析が必要なときなどは、水分子の位置や水素原子の位置までも決定できるような高分解能データを求めることになります。

HIV-1 protease structure

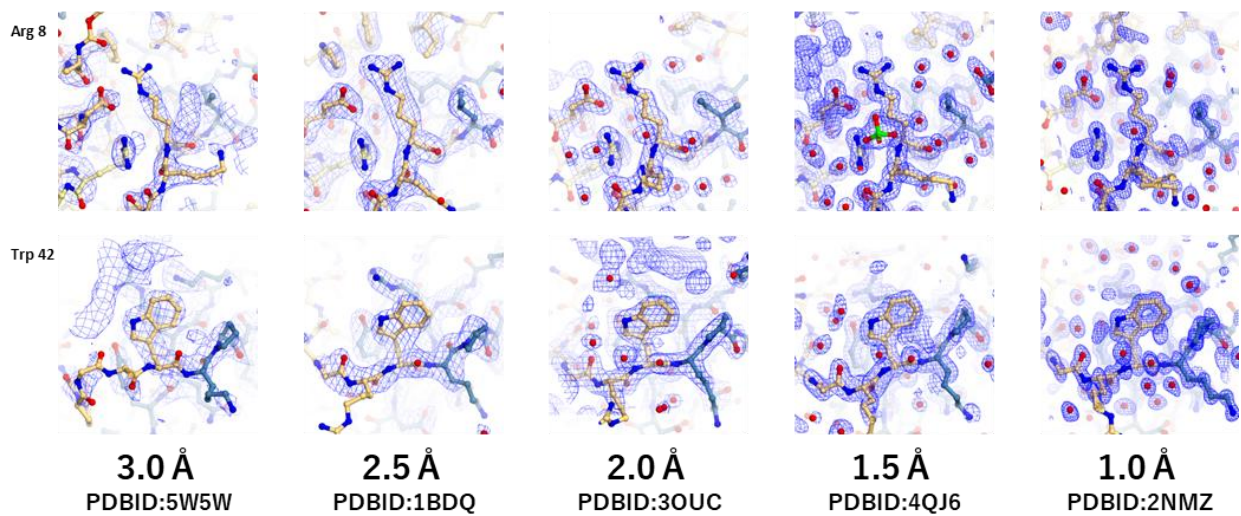


図 6 PDB 登録の分解能が異なる複数の HIV-1 protease X線結晶構造の電子密度マップの比較（右側が良い分解能）

結晶の分解能と化合物電子密度の明瞭さ

一方で、十分な分解能の結晶構造が得られた場合でも、低分子化合物などのリガンドの結合様式が決定できるかどうかはまた別の問題となります。当社が構造解析を実施した農薬標的タンパク質と低分子化合物（既存薬及び非上市薬）との複合体結晶構造解析の実例を示します。これらは、どれも同程度の分解能（2.5~2.7 Å 付近）の結晶であるため、これらを比較することで標的タンパク質に対する阻害能が強い化合物では明瞭な電子密度が観測できることがわかります（生化学アッセイは当社実施）。左側ふたつの高結合能（高阻害能： IC_{50} 値が小さい）化合物は SBDD によって設計されたものではありませんが、その複合体構造は化合物全体に相当する電子密度マップが明瞭に確認でき

ます。一方で低結合能（低阻害能）化合物との複合体構造解析では、部分的な化合物の電子密度しか確認できません。

SBDD 初期においては、このような不明瞭な化合物の電子密度が観測されることはよくあります。このような電子密度であると、化合物の結合構造を決定するのが困難ですが、これはタンパク質の結合ポケット中で化合物が揺らいているためだと考えられます。このことは、SBDD を行う上で重要な情報となります。ドッキング・シミュレーションや分子動力学計算 (MD)、生化学アッセイも併用しながら、周辺化合物の複合体結晶構造解析を繰り返すことにより、どの官能基が結合の安定に重要な電子密度から割り出す作業を行います。この SBDD サイクルにより、効率的に結合能の良い化合物に改良します。

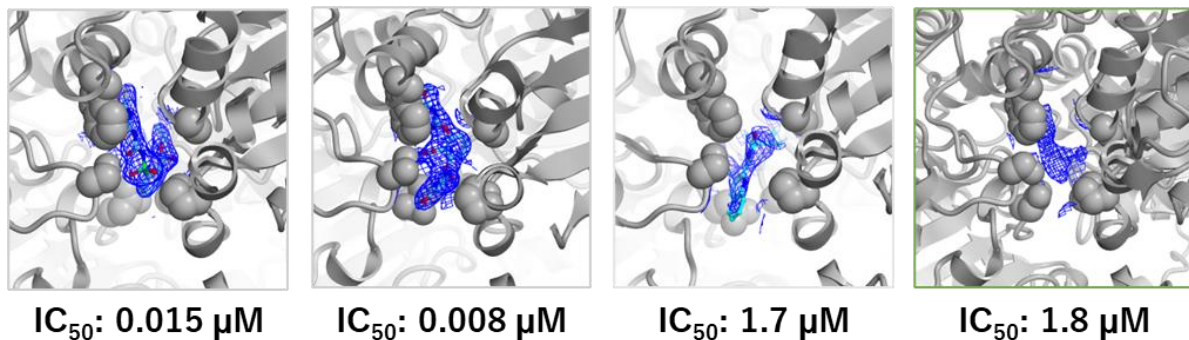


図 7 阻害活性の異なる化合物の電子密度マップの比較

5. アグロデザイン・スタジオの構造活用例

農薬①: HAO 阻害型の硝化抑制剤の創薬

～構造ベース創農薬で地球環境を守る～

硝化抑制剤標的ヒドロキシルアミン酸化還元酵素 (HAO)

現代の農業において、窒素肥料は不可欠な農業資材ですが、ハーバーボッシュ法によって大量の化石燃料を消費して合成されており、低窒素農業が持続的社会的のために期待されています。硝化抑制剤は、窒素肥料を栄養源とする土壌菌である硝化菌を殺菌するための薬剤です。この菌によって窒素肥料投与量の半分程度が消費されてしまい、作物に肥料がいきわたりません。そこで当社では、硝化菌だけがもつ酵素である HAO を標的とすることで、効果が強く、安全性の高い薬剤を目指して研究開発を行っています。

結晶構造を利用した *in silico* スクリーニング

HAO は、これまでに農薬標的として利用されたことのない酵素です。HAO はヘムが 24 個結合するヘムタンパク質であり (うち 3 個は Tyr と共有結合する特殊なヘム)、力場パラメーターの設定が困難であるため、ドッキング・シミュレーションで薬剤探索を行うことが困難でした。一方で、研究をはじめた当時は、リガンドが結合していない状態 (アポ酵素) の構造のみが論文発表されており、リガンドが結合した状態 (ホロ酵素) の構造はありませんでした。そのため、基質-HAO 複合体構造から阻害剤を設計することも難しい状況でした。

そこで、まず X 線結晶構造解析法により、基質であるヒドロキシルアミンおよび基質ミミック型の阻害剤 2 種と HAO との複合体の立体構造を決定しました。その構造情報をもとに力場パラメーターの設定が不要な *in silico* スクリーニング法の一つであるファーマコフォアサーチを行いました。このとき結晶構造が得られていた 2 種の化合物のファーマコフォアと化合物が結合するタンパク質のポケ

ット形状を利用することで、約 600 万種の市販化合物から 77 化合物を選抜・購入しました (図 8)。それら化合物の HAO 酵素に対する阻害活性を調べたところ、22 種の化合物から活性が検出されました。最も活性の高いヒット化合物と HAO の複合体結晶構造を解析したところ、狙っていた位置に化合物が結合していることが明らかになりました。その後、複合体結晶構造をもとに、化合物の改良を行い、 IC_{50} が 10 nM 程度の活性の強い化合物の創出に成功しました。このようにタンパク質のリガンドポケットの構造情報に基づくファーマコフォアサーチを利用することで、高確率のスクリーニングを実施することができました。

ファーマコフォアサーチの有用性

HAO のような特殊な補欠分子を持つタンパク質に対して、ファーマコフォアサーチは有効なアプローチになります。また、ドッキング・シミュレーションと比較して、計算時間が半日から 1 日と短いことも特徴として挙げられ、構造が類似した化合物の網羅的探索や化合物の母核構造を置換するスカフォールド・ホッピングが短時間に実施可能です。

(本研究は、(国研)農業・食品産業技術総合研究機構様との共同研究として行われました)



図 8 *in silico* スクリーニング (ファーマコフォアサーチ) に用いた HAO の基質結合ポケット

農薬②: ALS 阻害型の除草剤の創薬

～構造解析で抵抗性変異を回避する～

除草剤標的タンパク質 アセト乳酸合成酵素 (ALS)

ALS は、ロイシンなどの分岐鎖アミノ酸の生合成経路においてアセト乳酸を合成する植物に必須の酵素です。また、この酵素自体が動物には存在しないため、この酵素を標的とした農薬は安全性の高い農薬となりえます。実際、1970年代からスルホニルウレア系除草剤をはじめとする ALS を標的とした除草剤は 40 種以上開発されており、除草剤の中では大部分を占めています。一方、これら既存薬に対する抵抗性雑草の出現が深刻となっており、その原因は ALS を構成するアミノ酸残基の点変異とされています。そのため抵抗性雑草対策剤として、変異型 ALS に効果のある新規化合物が望まれています。

結晶構造を利用した *in silico* スクリーニング

本研究では既存薬とは異なる化合物骨格を持つ新規ケモタイプの化合物創出を目指し、効率的に薬剤探索を行う *in silico* スクリーニングとして、市販化合物データベース約 1000 万種に対するドッキング・シミュレーションを実施しました。このシミュレーションに先立ち、既知農薬-ALS 複合体結晶の情報を利用しました。既に Protein Data Bank (PDB) 登録されている ALS 構造はありましたが、まだ 30 種類以上の市販剤との複合体構造が決定されていませんでした。ドッキング・シミュレーションの精度向上のためには、より多くの複合体構造が必要であると考え、まず ALS-リガンド複合体の構造解析を行うことにしました。複合体構造の解析実験には、自動化により迅速なタンパク質結晶化・X線回折実験・データ解析処理が可能な『SPRing-8 リガンドスクリーニングパイプライン (理化学研究所 放射光科学研究センター)』を活用し、一挙に 15 種類の新規複合体構造を決定しました (図 9)。これら構造データをもとに *in silico* スクリーニングの条件検討を行い、各剤の結合様式を再現することに成功しました。こ

のようにして確立した条件を用い、約 1,000 万化合物に対する大規模スクリーニングを実行しました。

酵素及び植物を使用した試験

in silico スクリーニングの結果から実際に化合物を約 300 種用意し、酵素に対する阻害活性と植物に対する生育阻害活性を確認しました。その結果、酵素と植物の両方に効果を示す新規の農薬リード化合物を複数見出すことに成功しました。また、変異型 ALS を使用した試験により、重要な抵抗性変異型 ALS にも野生型と同などの阻害活性を示すことが分かりました。

新規リード化合物との複合体結晶構造解析

酵素に対して高い阻害活性を示す新規化合物が得られたため、ALS との複合体結晶構造解析を実施しました。その結果、既存薬とは異なる結合様式であることが明らかになり、そのことが抵抗性変異型 ALS に対しても効果を示す要因であることが判明いたしました。これにより、さらなる合成展開の方向性が明確になりました。

(本研究は、株式会社 Preferred Networks 様、理化学研究所 放射光科学研究センター様との共同研究として行われました)

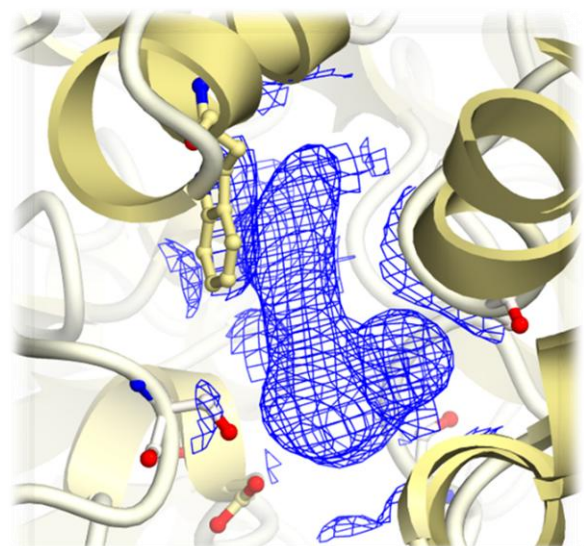


図 9 X線結晶構造解析法により決定した ALS と阻害剤の複合体結晶構造 スティックモデル：除草剤抵抗性に関わるアミノ酸残基側鎖、電子密度マップ：阻害剤

6. アグロデザイン・スタジオの構造解析実績

豊富なビームタイム

当社は自社創農薬のために放射光施設での豊富なビームタイム（測定時間）を利用してきました。国内外の放射光施設の SPring-8、高エネルギー加速器研究機構 Photon Factory (PF)、あいちシンクロトロン光センター (AichiSR)、スイス国 Swiss Light Source (SLS)、フランス国 European Synchrotron Radiation Facility (ESRF) のビームタイムいずれかを週に1度以上のペース（年間300時間以上）確保しているため、迅速にデータ収集を行えることが当社の強みの一つです（図10）。このうち、SPring-8とPFは夏季に長期運転休止期間がありますが、AichiSRとSLS（2024年はESRFで代替）は日本の夏季も稼働しております。特に当社はSLSと年間176時間以上のビームタイム

利用契約を締結しており、日本で唯一のSLS認定サービスプロバイダー（パンフレット作製日現在において）として、日本のお客様にSLSのX線測定サービスを展開しております（図11）。さらに当社ではAgroBox®用（受託サンプル）の測定だけでなく、自社創農薬にも多くのビームタイムを確保しています。そのため、柔軟なビームタイム分配が可能となり、測定スケジュールの変更や急な測定需要増などのニーズにも柔軟にご対応可能です。当社では様々な測定プランを通じて、お客様のご要望にお応えします。

構造解析実績（すべて自社創農薬用）

【X線結晶構造解析】

期間：2022年4月～2023年3月

測定時間：334時間

（別途PFで229枚の*in situ*プレート測定）

Pin数（結晶数）：2219本

新規構造：163（変異体、ligand違い含む）

最高分解能：0.83 Å（SP8 BL41XU）

使用施設：SPring-8、KEK/PF、AichiSR

【クライオ電子顕微鏡構造解析】

期間：2022年4月～2023年3月

構造決定数：2

最高分解能：1.7 Å（岡崎生理研 TITAN Krios G4）

使用施設：岡崎生理研、KEK、SPring-8

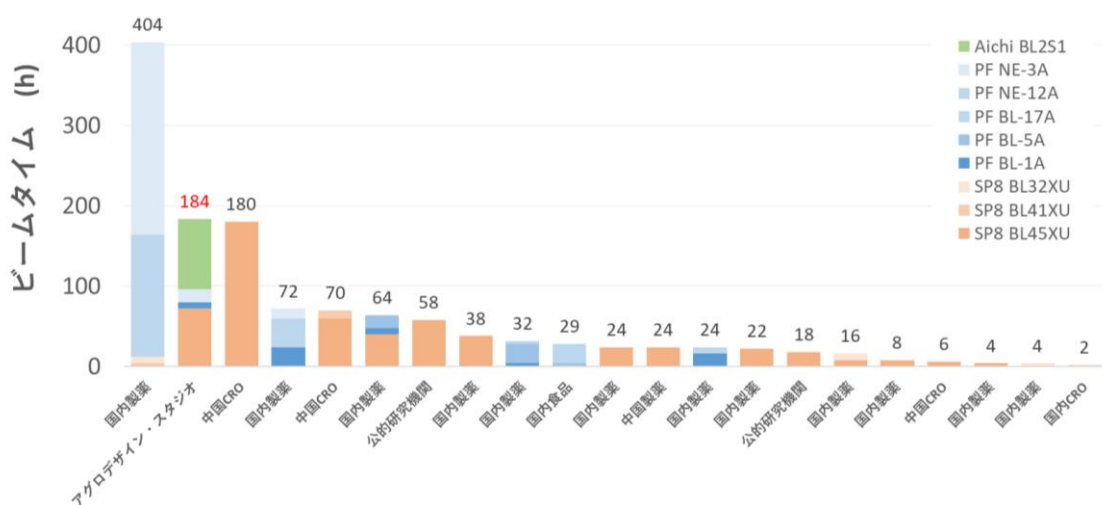


図10 国内放射光ビームライン成果占有(商用)測定時間数（2022年8月～12月）※公知情報より当社調べ

利用可能な放射光施設
国内3施設+海外2施設

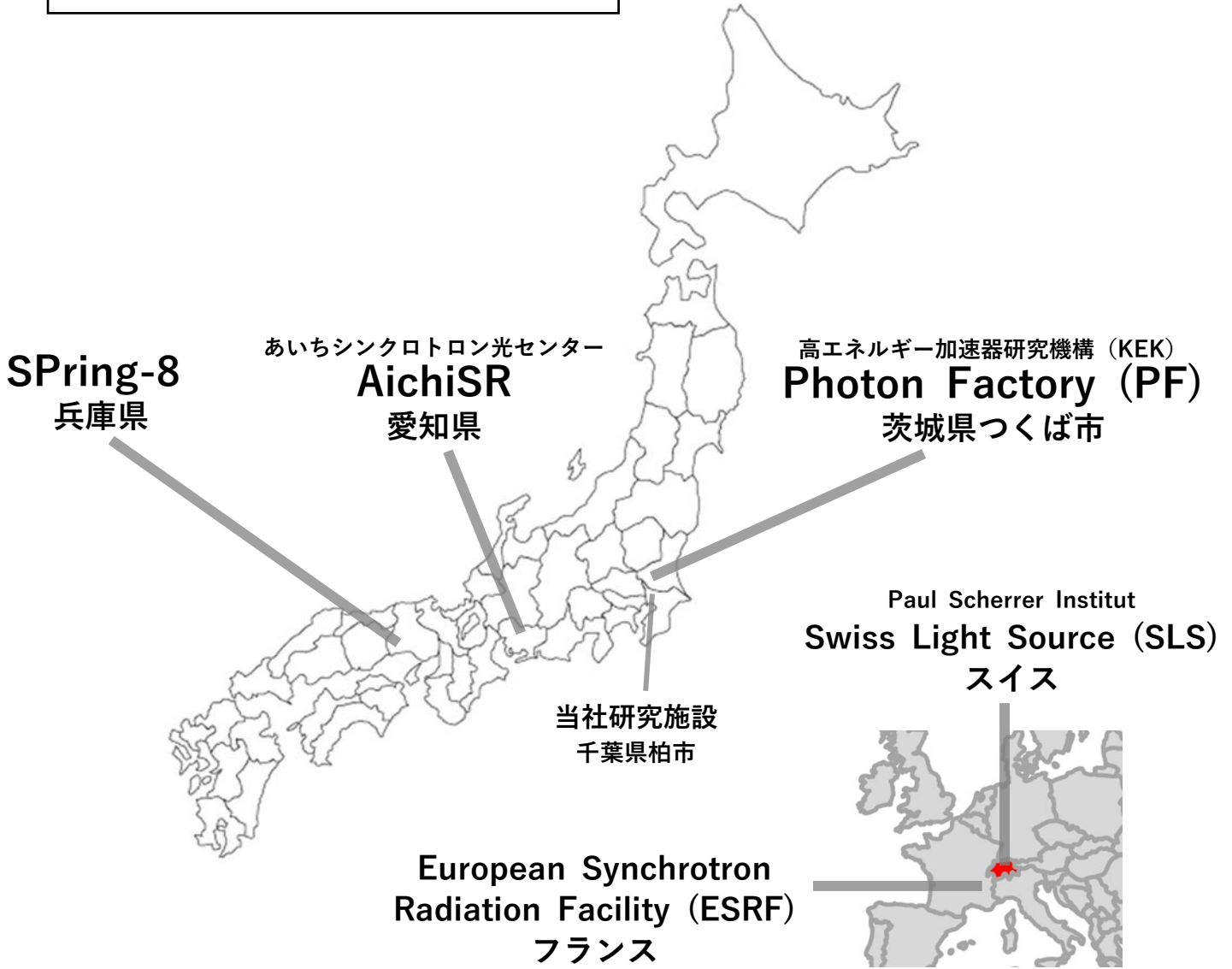


図 11 利用可能な放射光施設 (国内 3 施設 + 海外 2 施設)

豊富な構造解析の実績とノウハウ

当社にはX線結晶構造解析、クライオ電顕解析、溶液NMR解析、構造バイオインフォマティクスを専門とする構造生物学研究者7名（全員関連分野の博士号取得）が在籍しております。当社研究者は、アカデミア（大学など）在籍時だけでも、合計で200以上の構造解析に関わっており、多岐に渡るタンパク質の結晶構造解析のノウハウを有しております。当社研究者には、放射光施設（KEK PF）での研究経験を有する者も複数在籍しており、各放射光施設との共同研究も盛んに行っております。こうした豊富な実績とノウハウにより、X線結晶構造解析のあらゆるトラブルシューティングに対応することが可能です。

さらに当社の特徴として、農薬（分子標的農薬）の自社創薬を構造ベース創薬手法（SBDD）で行っていることがあげられます。医薬も農薬もSBDDにおいて同様なことが実施されるため、自社創薬の経験をもとに、創薬に適した構造解析の方法をご提案できます。

当社の特徴

- 構造生物学研究者7名が在籍
- 自社創薬研究としてSBDDを実施
タンパク質発現から構造解析、薬剤設計、相互作用解析まで可能（※現在、構造解析のみサービス提供中です）
- 自社創薬の経験から、創薬に適した構造解析手法をご提案可能
- 年間300時間以上の豊富なビームタイムを確保
（実績：2022年334時間、2023年320時間）
- 国内外4放射光施設を併用し、年間通して測定が可能
- 多様なタンパク質などに対応可能
 - ✓ 可溶性タンパク質
 - ✓ 抗体
 - ✓ 膜タンパク質（LCP結晶化は別途お問合せ）
 - ✓ 糖タンパク質
 - ✓ 核酸-低分子複合体
- 当社で実施実績のあるタンパク質構造解析手法
 - ✓ X線結晶構造解析
 - ✓ クライオ電顕解析（別途お問合せ）
 - ✓ 溶液NMR解析（別途お問合せ）



研究画像ギャラリー *in silico* 創薬用コンピューター



研究画像ギャラリー：SPring-8 の上空からの写真（羽田⇒岡山便）2024年4月当社撮影

AgroBox®の 2 つのサービス



海外放射光測定サービス

お客様のタンパク質結晶に対し、放射光施設で X 線結晶回折実験を実施するサービスです。

このサービスでは、国内外の放射光施設を活用することで、夏期も含め年間通して X 線回折測定を可能にしました。費用には、Uni-Puck やドライシッパーなどのツールの貸し出し、輸送費用、測定費、データ処理費用（構造モデリングはオプション）、データ送付費用が含まれます。



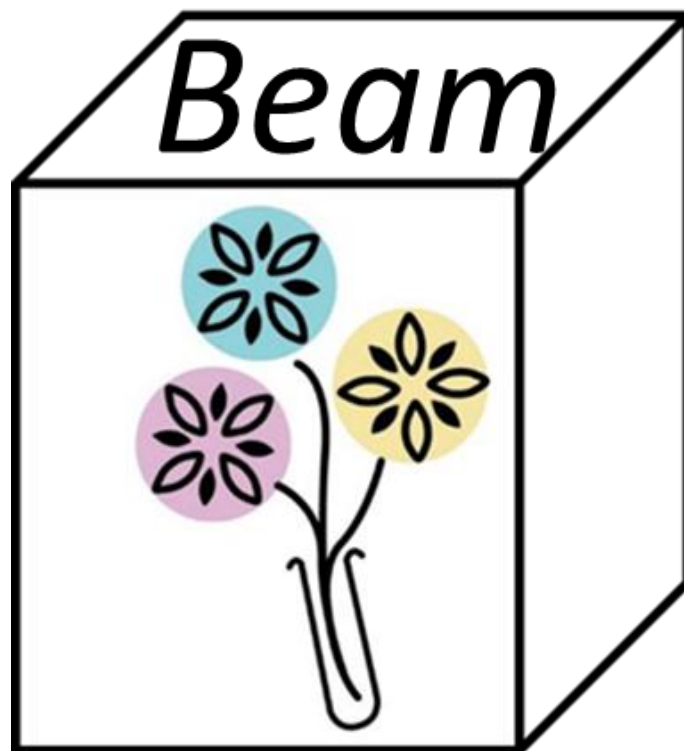
構造解析フルサービス

タンパク質及び核酸の結晶構造解に必要な一連の作業を実施します。

このサービスでは、結晶化スクリーニングから、結晶条件の精密化、放射光施設でのデータ測定、データ処理、構造モデリング、タンパク質-化合物複合体構造解析を実施可能です。

AgroBox®

海外放射光測定サービス



海外放射光測定サービス

ESRF 測定サービスの特徴

サービス概要

- 国際輸送と測定のみを行うサービスです。
- Uni-Puck 1 個（結晶 16 個）から、最大で Uni-Puck 9 個まで 受け付けております。
- 価格にはツール貸出、輸送、測定・自動データ処理などすべてが含まれます。
- 煩雑な国際輸送の手続きは当社が行うため、凍結させた結晶を当社研究所までお送りいただくだけです。
- 測定データは当社より新品 Solid State Disk (SSD) などで郵送いたします。
- ※国内放射光施設で測定することも可能です。

ビームライン

利用するビームラインは、ビーム強度に優れ、自動データ処理も可能な European Synchrotron Radiation Facility の Macromolecular Crystallography Beamline ID23-1 または ID30B になります。これらビームラインのビーム強度は $[1\sim6 \times 10^{12} \text{ (photons/s)}]$ であり、X線波長は 2.0 ~ 0.62 Å の範囲で指定可能です。当ビームラインの自動測定プロトコルでは、低線量の X 線を用いた 2 次元スキャンにより結晶位置の同定を行い、最も強い回折像を与えた結晶部分を X 線照射位置として、結晶の空間群に応じた角度分 (180~360°) の回折データ収集を行います。

※ヘリカル測定/マルチ測定は行えません。



European Synchrotron Radiation Facility (ESRF)
写真：ESRF 提供

自動データ処理

自動データ処理機能では、X線回折データを収集すると同時に、ビームラインに搭載された自動処理ソフトにより構造因子 F データの計算を行います。ここで得られる構造因子 F データは、らせん軸判定を含む最終的な空間群として処理されるため、分子置換法等の初期位相決定にすぐ可以使用することが可能です。また、分子置換法でお使いになるサーチモデルの PDB 情報を事前にデータシート (Excel ファイル) に記入いただくことで、分子置換法による初期位相決定および電子密度計算まで、自動処理することも可能です。

※自動データ処理が失敗した場合：別途 AgroBox No.5 をご利用いただければ、経験豊富な当社研究者によるマニュアルデータ処理も可能です。複数の回折データのマージ処理、自動データ処理機能でうまく処理できない難しい結晶の場合は、ご利用ください。



写真：ESRF 提供

サービスの申込の流れ

- ① 測定代行便 仮予約・ツール申込書にご記入。
- ② 当社から貸出ツール（無料）をご送付。
- ③ Uni-Puck へ凍結結晶を保存。
- ④ 結晶必着日の前々日までに本発注。
- ⑤ 当社まで結晶をご送付。



データ測定後の流れ

ビームタイムに当社への結晶必着日を設定しております。
お客様の凍結させた結晶サンプルを『結晶必着日午前中ま

でに当社（千葉県柏市）必着』でお送りください。
測定データは当社より新品 Solid State Disk (SSD) で郵
送いたします。
納期は 2~3 週間となります。
※速報データの送付をご希望の場合はご相談ください。
※ビームタイムスケジュールはお問合せ下さい。

無料貸出 Uni-Puck ツール

結晶凍結および輸送のために必要な下記のツールを無料
で貸し出ししております。

無料貸出 Uni-Puck ツール一覧



・ Universal V1-Puck
(Uni-Puck)
※1Puck で結晶 16 個保管

・ Puck Separator Tools
・ CrystalCap™ SPINE CryoLoop
※当社より新品ループを提供いたします
・ Puck Wand
・ Bent Cryo Tongs
・ Puck Dewar Loading Tool
・ Shelved Puck
Shipping Cane (ALS-style)

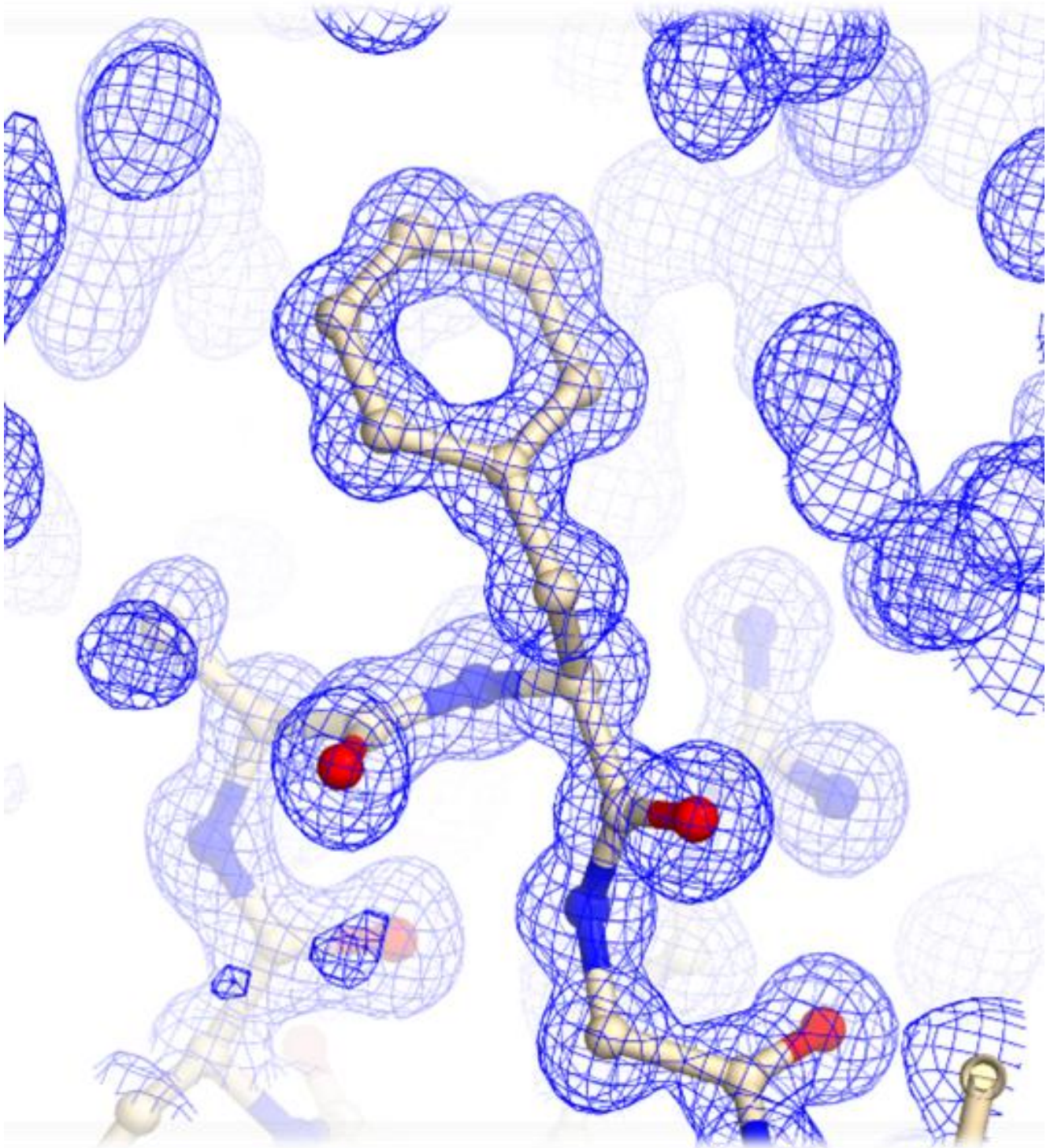
・ Cryo Express
Dry Shipper
※保温性能チェック済み

・ Upright Shipping Case
※海外輸送はキノコ型

価格など詳細はウェブサイトをご覧ください

※為替などをもとに価格は変動いたします。

<https://agrobox.jp>

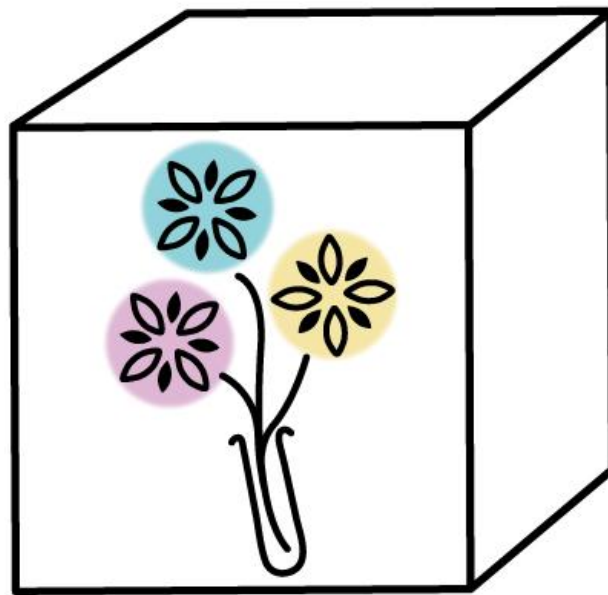


研究画像ギャラリー：農薬ターゲットタンパク質の超高分解能 X 線結晶構造 (0.83 Å)

AgroBox®

タンパク質/核酸の結晶構造解析

フルサービス



I. AgroBox®フルサービス 構造解析をパッケージ化

スタンダードなタンパク質構造解析作業をパッケージ化

AgroBox®は、タンパク質/核酸の X 線結晶構造解析に必要な作業をパッケージ化したサービス（受託解析）です。AgroBox®は、定められたプロトコールに従って実験作業を進め、データを返送いたします。AgroBox®の手法は、当社が自社創農業用に行っている構造解析の最もスタンダードな（成功率の高い）方法になります。AgroBox®は定額料金となっており、遭遇することの多いトラブルにも追加料金なしでご対応いたします。ご要望が多い解析目的に合わせたセットも用意しております。そのため、お客様側での細かいオプションの指定や、事前の研究計画策定や個別見積が不要となります。また AgroBox®は、個別 Box（作業内容）ごとに分割されており、ポジティブな結果が得られない場合は、途中で中止することも可能です。そのため、お客様は精製したタンパク質/核酸サンプルを当社に送るだけで構造解析が手軽に始められます。

構造生物学者を雑用から解放

AgroBox®は、当社の構造生物学者が日々悩まされ、そして効率化してきた書類仕事やルーチンワークのノウハウの塊です。タンパク質構造解析のために必要な作業として、放射光施設への課題申請、放射光施設との契約、ビームタイムの確保、測定日に合わせた実験スケジュール調整など、専門家でなければできない煩雑な仕事が山ほどあります。

これら作業が、本来の仕事であるクリエイティブな研究活動への専念を難しくしています。AgroBox®ならサンプルを送るだけ。煩雑な仕事は当社にお任せください。AgroBox®は、煩わしい書類仕事やルーチンワークから構造生物学者を解放します。

国内で完結（ご希望により、海外放射光を利用することも可能です）

AgroBox®でご提供する作業は、一部測定を除き、すべて日本国内で実施しています。構造解析を行う CRO(受託会社)は海外にも存在しますが、海外 CRO の利用には、サンプル受渡しの困難さ、言語の壁、時差によるオンラインミーティングの難しさ、契約作業の難しさ、商習慣の違い、情報漏洩の懸念、為替変動リスクなど様々な困難があります。AgroBox®をご利用いただければ、すべての作業が国内で完結します。実験作業は、千葉県柏市の当社ラボおよび当社が直接契約している日本国内の放射光施設 [兵庫県 SPring-8、愛知県 AichiSR、茨城県つくば市高エネルギー加速器研究機構 Photon Factory (KEK PF)] にて実施し、必要に応じて政情が安定している国の放射光施設 [スイス Swiss Light Source (SLS) ※1、フランス European Synchrotron Radiation Facility (ESRF) ※2] を利用します ※1 当社は SLS の認定サービスプロバイダーです。 ※2 ESRF は、SLS のアップグレード工事期間中（2026年7月までを予定）に代替として利用可能です。

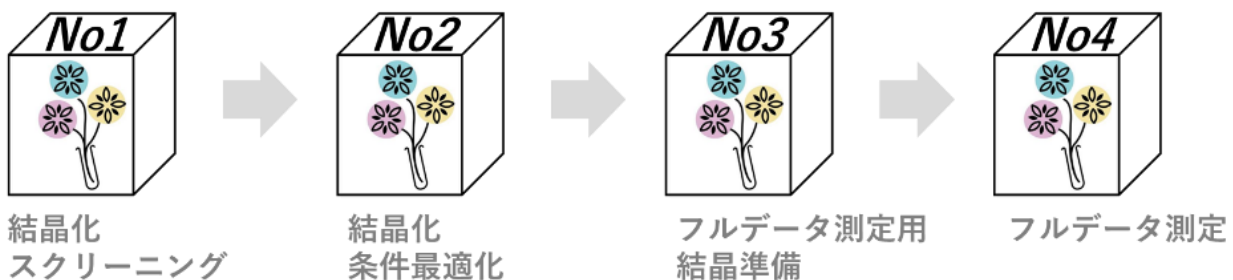


図 12 AgroBox®フルサービス概説

知財はすべてお客様に帰属

AgroBox®は、あらかじめ定められたプロトコルに従い、作業を行うサービスになります。よって、当社が知財を主張することはなく、得られた成果は、お客様に帰属します。

※注：タンパク質立体構造情報そのものは単なるデータであるため、特許法上の発明に該当しないとの見解が日・米・欧の三極特許当局から出ております。

参考文献1 特許庁 特許・実用新案審査基準 第七部 特定技術分野の審査基準
参考文献2 最近の日米欧の三極比較研究とタンパク質 立体構造関連発明の審査運用
https://system.jpaa.or.jp/patents_files_old/200304/jpaapatent200304_028-038.pdf

(なお、当社がお客様のために発明を行うことは、AgroBox®のサービス内容に含まれておりません。AgroBox®はタンパク質構造解析におけるルーチンワークを受託サービス化したものであるため、当社が行う作業そのものには発明が生じる余地がありません。一方で、お客様のサンプル特有の条件によって、本サービスで取得したデータをもとに新たな発明を考案でき

る可能性はございます。当社が提供したデータはお客様に帰属されるため、それをもとに発明を行うことに制限はございません。もちろん、当社がお客様の情報を無断で利用して発明を行うことはございません。)

決して安くはないかもしれませんが

AgroBox®は、タンパク質構造解析の最安価格ではないでしょう。しかし、データの質、早さ、そして手続きの簡便さには自信があります。お客様の手間が最小限になるように設計しておりますので、浮いた時間でよりクリエイティブな仕事に専念していただけます。2024年12月までは、初回利用時に大幅割引が適用となるキャンペーンを実施中のため、ぜひ1度お試しください。

2. AgroBox®フルサービスファミリー

AgroBox®の基本パッケージは、以下から構成されます。AgroBox®をセットでご購入いただく事で、一連の構造解析が実施可能です(次ページ参照)。さらに各 AgroBox®には、基本 Box に加え追加 Box もあり、お客様のニーズに合わせて、ご選択が可能です(通常は基本 Box のみで十

分です)。各 AgroBox®の基本 Box は同料金(1box 料金単位)であり、追加 Box はその半額(0.5box 料金単位)に設定されています。ただし、一部例外もありますので、詳しくは、本パンフレットの各 AgroBox®の詳細説明ページや別紙の料金表をご覧ください。

現在販売中の AgroBox®

【AgroBox®結晶構造解析】

- AgroBox® No.1 結晶化スクリーニング
- AgroBox® No.2 結晶化条件最適化
- AgroBox® No.3 結晶作成、クライオ条件検討
- AgroBox® No.4 フルデータ測定
- AgroBox® No.5 X線回折データ処理&データの質判定
- AgroBox® No.6 分子モデリング
- AgroBox® No.7 リガンド複合体構造解析(2box 料金単位が必要)
- [AgroBox® Pro α 実験位相決定]



・AgroBox[®] 結晶構造解析フルサービス 一覧 (タンパク質/核酸)

AgroBox [®] 結晶構造解析		内容	必要 box 単 位	お客様にご用意いただくもの	
				タンパク質溶液 (10 mg/mL 推奨) ※核酸は別当ご相談	その他
No.1	基本	 結晶化スクリーニング 溶液条件 480 種	1box	125 μ L	
	追加	 [A~F]溶液条件 480 種以上追加毎 (結晶化キット 5 種追加) [RF]RNase Free 対応	0.5box	125 μ L (追加 Box 毎)	
No.2	基本	 結晶化条件最適化 溶液条件 96 種	1box	25 μ L	
	追加	 [A]溶液条件 96 種追加毎 (プレート 1 枚分) [RF]RNase Free 対応	0.5box	25 μ L	
No.3	基本	 フルデータ測定用結晶準備 結晶 32 個まで凍結保存	1box	50 μ L	
	追加	 [A]結晶 16 個追加毎 (Uni-Puck 1 個) [RF]RNase Free 対応	0.5box	50 μ L	
No.4	基本	 フルデータ測定 結晶 32 個まで測定	1box		
	追加	 [A]結晶 16 個追加毎 (Uni-Puck 1 個)	0.5box		
No.5	基本	 X 線回折データ処理 結晶 32 個まで処理	1box		
	追加	 [A]結晶 16 個追加毎 (Uni-Puck 1 個)	0.5box		
No.6	基本	 構造モデリング 創薬グレード (活性部位周辺残基の精密化)	1box		【データ】 ・配列情報
	追加	 [A]論文グレード (すべてのアミノ酸残基の精密化) PDB 登録もサポート	2box		
No.7 ※No.3~5 実施済 対象	基本	 リガンド複合体構造解析 2 化合物(条件検討含む) 結晶化からモデリングまで	2box	30 μ L	【データ】 ・配列情報 ・化合物情報(smiles 形式)
	追加	 [A]追加 4 化合物毎 (Uni-Puck 1 個) [RF]RNase Free 対応	2box	30 μ L	【物品】 ・DMSO 溶解化合物 (20 mM 以上推奨)
Pro α	-	 実験位相決定 (新規フォルド)	個別 見積	事前確認が必要になります。	

・ AgroBox[®] No.7 の化合物情報の提供を望まない場合は、タンパク質モデリングまで当社で行い、化合物モデリングをお客様で行っていただく事も可能です。

・ AgroBox[®] No.7 の追加 Box B (96 穴プレート)、追加 Box C (384 穴プレート) のご購入を希望されるお客様は、個別対応いたします。お問い合わせください。

・ 1box あたりの金額は、別途 Web 掲載の価格表をご覧ください (<https://agrobox.jp>)



研究画像ギャラリー：プレート搬送用 6 軸協働ロボット xArm 6 with BioGripper (UFactory 社製)
 ※(株)アグロデザイン・スタジオは、UFactory 社の正規代理店です。

3. おすすめセット (タンパク質の構造解析)

おすすめセット蛋白①~③ (タンパク質のみの構造解析/アポ酵素)

BoxSet 蛋① 新規の構造解析セット (合計 6.5 box 料金単位)

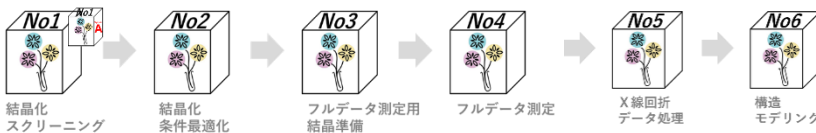
これまで構造解析が行われていないタンパク質の新規構造解析のためのセットになります。構造未知のタンパク質の場合は、結晶化条件も一切不明であるため、結晶化条件のスクリーニング (AgroBox® No.1) から行う必要があります。このセットでは、AgroBox® No.1~6 をセットにしており、結晶化条件スクリーニングから構造モデリングまで一連の作業を行います。AgroBox® No.1 では、追加 Box A も行う事により、結晶化の確実性を高めます。

基本 Box1~6 + 追加 Box 1A

要ご準備：タンパク質溶液

要情報提供：タンパク質のアミノ酸配列 (No.6 において)

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 蛋② 文献構造再現セット (合計 4 box 料金単位)

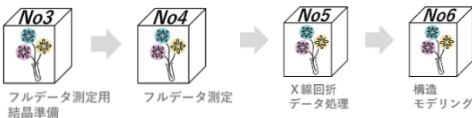
構造既知タンパク質で結晶化条件が論文などで公知なタンパク質で、AgroBox®またはお客様側で再現性の確認がとれていない場合は、こちらのセットをご使用ください。当社にて論文情報を確認し、それに従い結晶化およびモデリングを行います。

基本 Box3~6

要ご準備：タンパク質溶液

要情報提供：文献情報 (アミノ酸配列、結晶化条件)

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 蛋③ 既知構造タンパク質の点変異体解析セット (合計 4 box 料金単位)

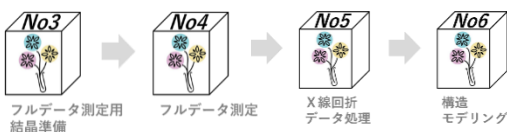
構造既知タンパク質の点変異体の構造解析をしたい場合は、このセットをご使用ください。お客様からご提供いただいた情報をもとに、結晶化およびモデリングを行います。

基本 Box3~6

要ご準備：タンパク質溶液

要情報提供：タンパク質のアミノ酸配列、結晶化条件

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



おすすめセット蛋白④～⑥ (タンパク質-リガンド複合体の構造解析)

BoxSet 蛋④ 新規タンパク質構造+リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 10.5 box)

構造解析例がないタンパク質に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。まず、新規タンパク質の構造解析を行います。その後に低分子化合物のリガンド (阻害剤など) を添加することにより、タンパク質とリガンドの複合体構造 (リガンドが結合した状態のタンパク質構造) を解析いたします。

基本 Box1~7+追加 Box No.1A, No.7A

(※BoxSet 蛋①+BoxSet 蛋⑥と同等)

要ご準備: タンパク質溶液、低分子化合物 (阻害剤など)

要情報提供: タンパク質のアミノ酸配列

納品物: 報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 蛋⑤ 文献タンパク質構造再現+リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 8 box 料金単位)

文献などで構造解析例があるタンパク質に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。まず、文献情報をもとにタンパク質構造解析を行います。その後に低分子化合物のリガンド (阻害剤など) を添加することにより、タンパク質とリガンドの複合体構造 (リガンドが結合した状態のタンパク質構造) を解析いたします。

基本 Box3~7+No.7 追加 Box A

(※BoxSet 蛋②+BoxSet 蛋⑥と同等)

要ご準備: タンパク質溶液、低分子化合物 (阻害剤など)

要情報提供: タンパク質のアミノ酸配列

納品物: 報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 蛋⑥ 構造解析済みタンパク質-リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 4 box 料金単位)

既に AgroBox®サービス内またはお客様側にて構造解析の経験があるタンパク質に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。タンパク質に対して、低分子化合物のリガンド (阻害剤など) を添加することにより、タンパク質とリガンドの複合体構造 (リガンドが結合した状態のタンパク質構造) を解析いたします。

基本 Box7+追加 Box 7A

要ご準備: タンパク質溶液、低分子化合物 (阻害剤など)

要情報提供: タンパク質のアミノ酸配列

納品物: 報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



4. おすすめセット (核酸の構造解析)

おすすめセット 核酸①~④

BoxSet 核① 核酸の新規構造解析セット (合計 6.5 box 料金単位)

核酸の新規構造解析を実施します。AgroBox® No.1 の結晶化スクリーニング時に基本 Box の 5 キット加え、核酸に適した追加 Box 1E での結晶化を行います。その後、結晶化条件最適化から構造モデリングまで行います。

基本 Box No.1~6 + 追加 Box 1E

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：核酸配列

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 核② 核酸の文献構造再現セット (合計 4 box 料金単位)

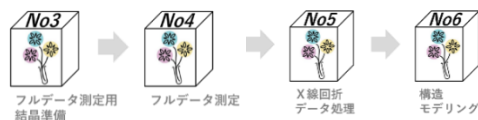
構造既知で結晶化条件が論文などで公知な核酸で、AgroBox®またはお客様側で再現性の確認がとれていない場合は、このセットをご使用ください。当社にて論文情報を確認し、結晶化およびモデリングを行います。

基本 Box No.3~6

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：文献情報 (核酸配列、結晶化条件)

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 核③ 核酸の新規構造解析+リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 10.5 box 料金単位)

構造解析例がない核酸に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。最初に1つ構造解析を行った後、最大6個の追加リガンドの構造解析を行います。

基本 Box 1~7 + 追加 Box 1E, 7A

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：核酸配列

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 核④ 核酸の文献構造再現+リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 8 box 料金単位)

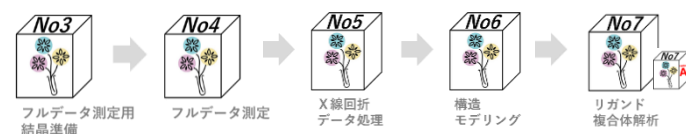
文献などで構造解析例がある核酸に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。

基本 Box 3~7 + 追加 Box 7A

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：核酸配列

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



おすすめセット 核酸④～⑧ (RNase Free 対応)

BoxSet 核⑤ RNA の新規構造解析セット (合計 8 box 料金単位)

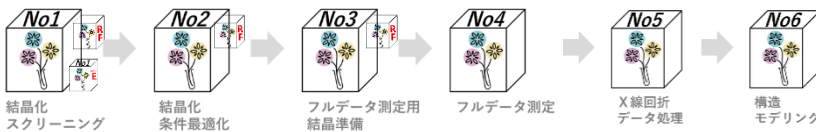
RNA を含む核酸の新規構造解析を実施します。BoxSet 核①を RNase Free 対応で実施します。

基本 Box No.1~6 + 追加 Box 1E, 1~3RF

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：核酸配列

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 核⑥ RNA の文献構造再現セット (合計 4.5 box 料金単位)

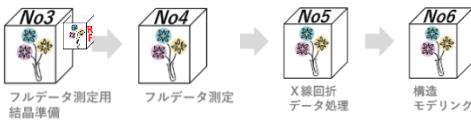
構造既知で結晶化条件が論文などで公知な RNA を含む核酸で、AgroBox® またはお客様側で再現性の確認がとれていない場合は、このセットをご使用ください。BoxSet 核②を RNase Free 対応で実施します。

基本 Box No.3~6, 追加 Box 3RF

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：文献情報 (核酸配列、結晶化条件)

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 核⑦ RNA の新規構造解析+リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 12.5 box 料金単位)

構造解析例がない RNA を含む核酸に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。BoxSet 核③を RNase Free 対応で実施します。

基本 Box No.1~7, 追加 Box 1E, 7A, 1~3RF, 7RF

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：核酸配列

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



BoxSet 核⑧ RNA の文献構造再現+リガンドスクリーニング[6化合物分]セット (合計 9 box 料金単位)

文献などで構造解析例がある RNA を含む核酸に対して、リガンドとの結合構造解析をしたい場合にご利用ください。BoxSet 核④を RNase Free 対応で実施します。

基本 Box No.3~7, 追加 Box 7A, 3,7RF

要ご準備：核酸、化合物 (ある場合)

要情報提供：核酸配列

納品物：報告書、測定データ、MTZ 及び PDB ファイル



5. AgroBox®フルサービスご利用方法

ご依頼から納品までの手順

① 簡易お見積り/無料コンサルジュサービスご依頼

AgroBox®の必要なサービス (Box セット) をご選択の上、お見積りをご依頼ください。最初の簡易見積書を発行いたします (見積価格は価格表記載の料金と同じです)。

適切な AgroBox®が分からない場合は、当社研究者がサポートさせていただきますので、お気軽にご連絡ください (無料コンサルジュサービス)。特に初回ご利用の場合や構造解析に慣れていらっしゃらない場合は、ご利用いただくことを推奨いたします (NDA 締結の上でのご相談も可能です)。コンサルジュサービスでは、「できるだけ価格を抑えたい」、「早急にデータが必要なので、スピード重視でできる方法でやってほしい」、「タンパク情報や化合物情報が出せないが、どこまで依頼可能か?」、「海外にサンプルを送ることができないので国内で完結させたい」などの様々なご相談にご対応可能です。また、当社には抗体、低分子医薬との複合体、膜タンパク質、糖タンパク質

など多様なタンパク質や核酸などの構造解析経験のある研究者が在籍しておりますので、構造解析の成功可能性も含めてお答えさせていただきます。

② 実験計画策定 + 基本契約締結

簡易見積書内容とお客様のご要望もとにご相談しながら、実験計画書の策定を行います。基本的に予め定められた実験内容から選択いただきますが、いくつかのオプションがございますので、お客様のご要望 (スピード重視、費用重視など) をもとに、実施する実験を決定いたします。実験計画書の策定が完了いたしましたら、確定版の見積書を発行いたします。

同時に基本契約書の締結を行います。基本契約書は、今後の再発注の際に毎回契約書全文のレビューを行わなくて良いよう、契約の基本部分をまとめたものです。当社にてひな形をご用意しておりますので、ひな形を基にお客様側で修正案をご提示いただき、最終的に合意いたしましたら、契約を締結いたします。

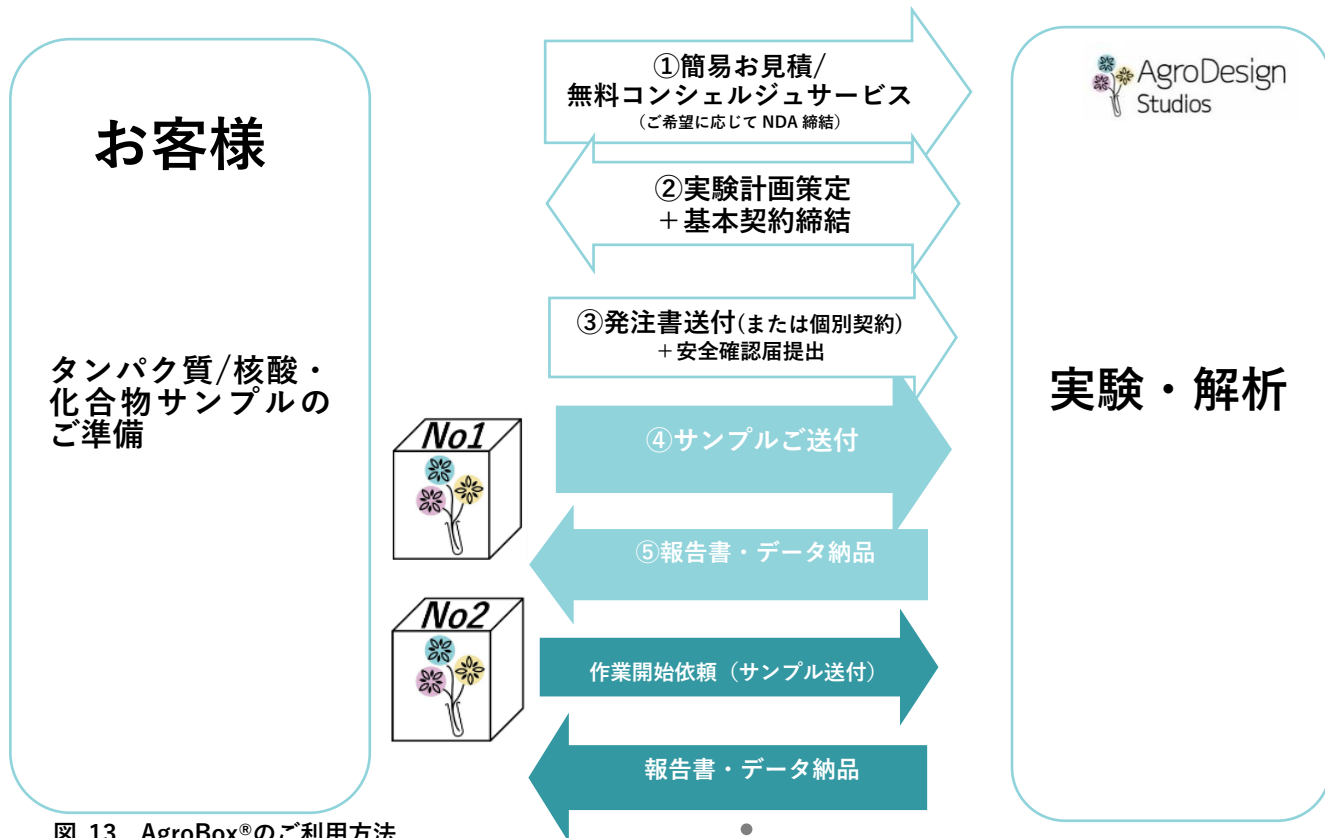


図 13 AgroBox®のご利用方法

③発注書送付（または個別契約締結）

発注することが決まりましたら、発注書をご送付ください（ご送付はPDFをメールでお送りいただければ結構です）。当社が発注書受領後、請書（受注確認書）を返送した時点で、発注確定（個別契約締結）となります。なお、お客様のご要望により、個別契約書形式でのご発注も可能です（製本した契約書を2部作り、両当事者が押印するタイプ。または、契約書に両当事者が電子署名をするタイプ）。

③ サンプルご送付

タンパク質/核酸溶液は、冷蔵または冷凍にて郵送ください。可能であれば、精製直後のタンパク質/核酸サンプルをすぐに冷蔵にてお送りいただく事をお勧めしております。冷凍する場合は、凍結融解によってアグリゲーションし、沈殿物が生じないか予めご確認ください。送付の際は、一般的な冷蔵または冷凍の宅配便をご利用ください（当社着払いでお送りください）。冷蔵の場合は、保冷剤を入れた発泡スチロールにてお送りください。冷凍の場合は、ドライアイスを入れた発泡スチロールにてご送付ください。タンパク質の濃度は、お客様側で指定の濃度（推奨値 10 mg/mL）まで濃縮していただく事を基本としておりますが、サンプルの性状によっては、低濃度でお送りいただき、当社で限外ろ過濃縮することも可能です。

化合物は、基本的に DMSO に溶解させたものを冷凍で

お送りいただくか、タンパク質/核酸溶液に予め添加した状態でお送りください。複合体構造解析の際には、化合物の濃度が重要になりますので、化合物の性状に関しては事前にご相談ください。

④ 報告書・データ納品

各 AgroBox®の作業が終わるごとに報告書、データの分割納品をいたします。実験結果によっては、次の AgroBox® ナンバーには進まずに中止することも可能です（中止した AgroBox®の費用は掛かりません）。

データは、まず報告書 PDF および確認用データ（PDB ファイルなど）を電子メールまたはクラウドストレージ経由で送付いたします。その後、最終納品として、製本された報告書およびすべての電子データを送付いたします。電子データ（測定データは 100 GB 近い容量になります）は、報告書などの PDF および全ての測定生データを新品の記憶媒体（USB メモリ、Solid State Disk (SSD)、ハードディスク (HDD)）に格納して郵送いたします。送付の際には、記憶媒体のデータは暗号化し、解凍パスワードは別送いたします。記憶媒体は、すべて当社で新品のものをご用意し、基本的に日本、韓国、台湾の有名メーカーのものを利用しております。お客様のご希望によっては、任意の形式（CD や DVD など）での納品も可能です。

【必要書類一覧】

ご発注に際し、当社がひな形等をご用意し、お客様にご確認（記入または修正）いただく必要がある書類になります。※契約書の締結は、基本的に電子署名とさせていただいておりますが、ご希望により紙（押印）でも可能です。

- (1) 秘密保持契約（事前の無料コンサルジュ時に必要な場合。基本委受託契約を締結している場合は不要です。）
- (2) 見積書
- (3) 実験計画書
- (4) 基本委受託契約書
- (5) 発注書（個別委受託契約書）
- (6) 安全確認届（※次ページ参照）

6. サンプルの安全性をご確認ください

ご依頼前にサンプルの安全情報をご確認のうえ、発注時に安全確認届をご提出ください。書類に記載の情報は、必要に応じて実験に利用する放射光施設などへ提供します（お客様の社名、サンプル名が特定できる情報は提供いたしません）。

遺伝子組換え生物等（カルタヘナ法）の非該当の確認

カルタヘナ法における「遺伝子組み換え生物等」が含まれないことをご確認ください。カルタヘナ法における「生物等」は、一般的な生物の概念と異なり、ウイルスも含まれます^{※1}。バキュロウイルス-Sf9 昆虫細胞発現系などをご利用の場合は、経産省指針に従い非該当であることをご確認ください（膜タンパク質でない場合、アフィニティー精製を行えば、ウイルスが除去されるため、非該当とみなすと指針が出されております。詳しくは経産省指針によりご確認ください）。

※1 根拠条文

平成十五年法律第九十七号 【遺伝子組換え生物等の使用等の規制による生物の多様性の確保に関する法律】

第二条第一項 この法律において「生物」とは、一の細胞（細胞群を構成しているものを除く。）又は細胞群であって核酸を移転し又は複製する能力を有するものとして主務省令で定めるもの、ウイルス及びウイロイドをいう。』

第二条第二項 この法律において「遺伝子組換え生物等」とは、次に掲げる技術の利用により得られた核酸又はその複製物を有する生物をいう。

第二条第二項一号 細胞外において核酸を加工する技術であって主務省令で定めるもの

第二条第二項二号 異なる分類学上の科に属する生物の細胞を融合する技術であって主務省令で定めるもの

※2 経済産業省指針 バキュロウイルス生産系を用いて生産された試薬の取扱い見直し（2020年11月）

https://www.meti.go.jp/policy/mono_info_service/mono/bio/cartagena/detailed_info/201200_baculo-clarification.html

病原性サンプル非該当の確認（該当物はお受けできません）

ヒトを含む動物、植物に対する病原性が無いことをご確認ください。病原性サンプルの場合は、AgroBox®をご利用いただく事ができません。

放射性物質保有サンプル非該当の確認（該当物はお受けできません）

ラジオアイソトープなどの放射性物質が含まれないことをご確認ください。放射性物質が含まれる場合は、AgroBox®をご利用いただく事はできません。

水銀保有の確認

サンプルに水銀/水銀化合物が含まれる場合は、ご申告ください。水銀/水銀化合物の種類や量によってはお受けできない場合がございます。

毒劇物の確認

サンプルに毒劇物が含まれる場合は、ご申告ください。毒劇物の種類や量によってはお受けできない場合がございます。毒劇物の一覧は、以下の公的機関のウェブサイトなどをご確認ください。

※参考：国立医薬品食品衛生研究所ウェブサイト

毒物および劇物取締法(毒劇法)トップページ <https://www.nihs.go.jp/law/dokugeki/dokugeki.html>

毒劇物化合物一覧ページ <http://www.nihs.go.jp/law/dokugeki/kennsaku.html>

安全確認届

株式会社アグロデザイン・スタジオ宛

届出日：202〇年〇月〇日
対応実験計画書 ID: 〇〇〇

【届出人】

住所：
会社名： (お客様 ID：〇〇)
担当者：

AgroBox®サービスを依頼するにあたり、提供する実験試料の安全情報を以下に開示します。また、必要に応じて当情報を実験計画書に記載する放射光施設などに提供することを了承します。 ※お客様名やサンプル名が特定可能な情報は提供いたしません。

●提供試料について、以下事項を確認しました。

【以下ご確認の上、チェックをお願いします。チェックが無い場合はお取り扱いできません】

- カルタヘナ法に該当する「遺伝子組換え生物等」(バキュロウイルスなど) は含まれていません
- 病原性サンプルではありません
- 放射性物質は含まれていません

●提供試料中の『水銀 (水銀化合物を含む)』の有無。

【該当する場合は、内容物もご記載下さい。機密情報に該当する場合は、『アルキル水銀化合物』、『新規合成低分子』などの表記でも可能です。】

- 水銀を含まない
- 水銀を含む (以下に詳細を記述)

物質名	水銀を含む試料名 (結晶の場合は Uni-Puck 番号)	数量 または Pin 数	備考
例) HgCl ₂	Uni-Puck AGG0001	1 本	5 mM 溶液をソーキング

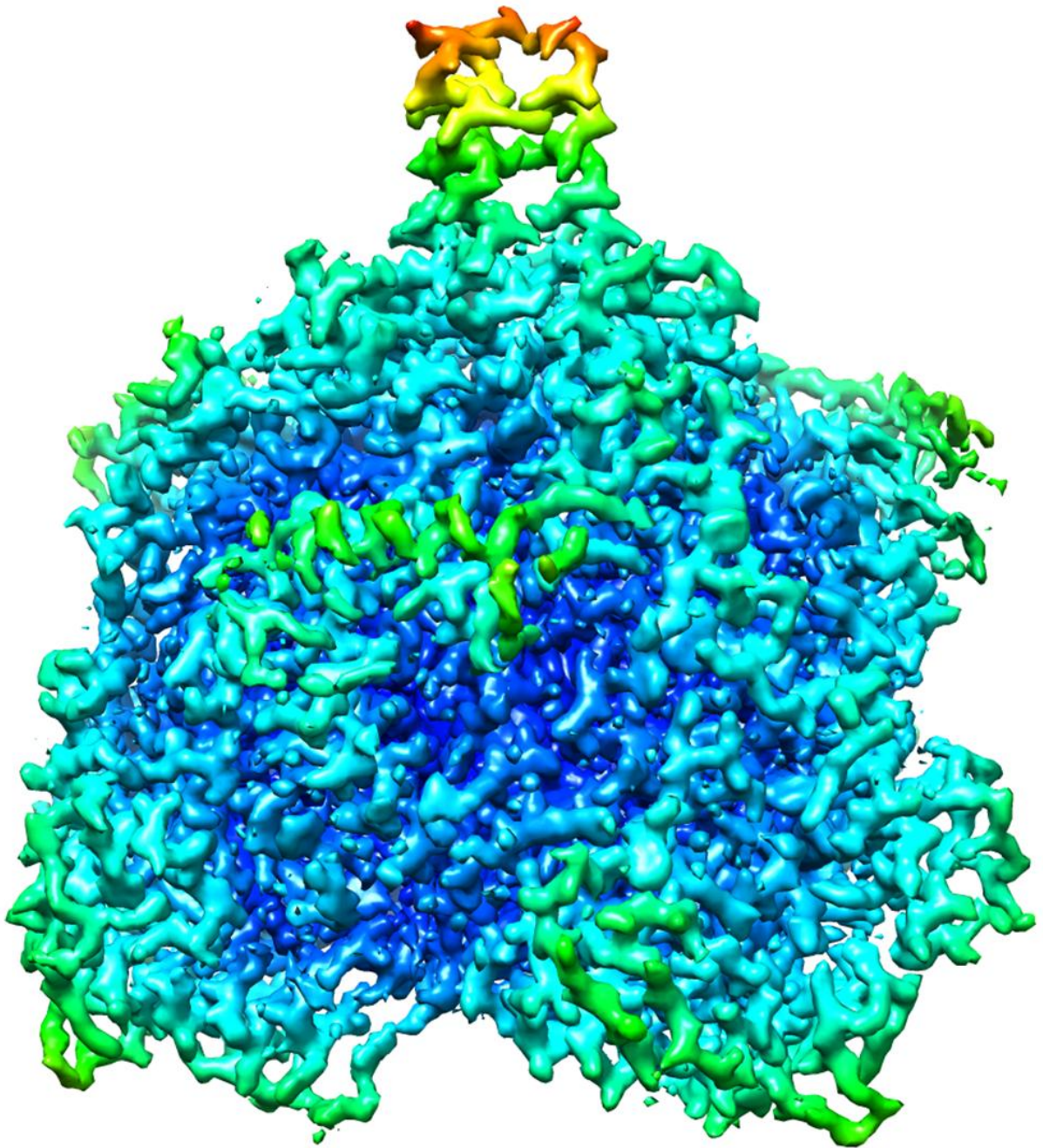
●提供試料中の『毒物及び劇物取締法 (毒劇法)』に該当する毒物、劇物、特定毒物 (以下『毒劇物』と略す) の有無。

【該当する場合は、内容物もご記載下さい】 毒劇物一覧：<http://www.nihs.go.jp/law/dokugeki/kennsaku.html>

- 劇毒物を含まない
- 劇毒物を含む (以下に詳細を記述)

物質名	毒劇を含む試料名 (結晶の場合は Uni-Puck 番号)	数量 または Pin 数	備考
例) カコジル酸 Na	Uni-Puck AGG0002	1 本	結晶化バッファーを含む

図 14 安全確認届 ひな形

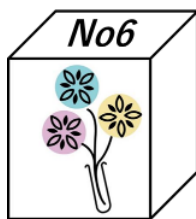
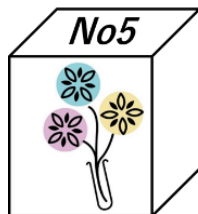
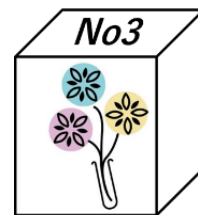
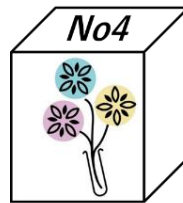
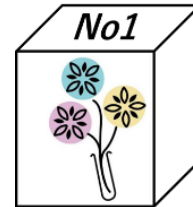


研究画像ギャラリー：農薬ターゲットタンパク質の高分解能クライオ電子顕微鏡構造（1.7 Å）

AgroBox[®]結晶構造解析

タンパク質結晶化/核酸結晶化

フルサービス内容詳細



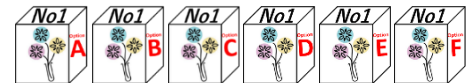
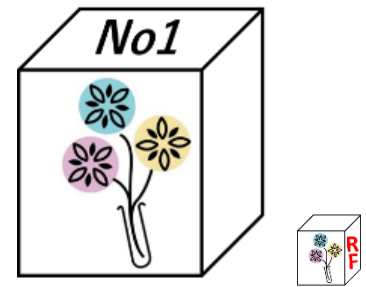
AgroBox® No.1 タンパク質 核酸

結晶化スクリーニング

まずは結晶を見出す

※精製されたタンパク質が必要です。

※核酸（DNA/RNA）の結晶化も同様に可能です。



1. サンプル品質チェック（タンパク質のみ）

結晶化できるかどうかは、サンプルの純度、濃度、性質に大きく依存します。AgroBox® No.1 では、まず簡易かつ重要なチェックとして、UV 計測および SDS-PAGE 解析により、お客様にご提供していただいたタンパク質の純度お

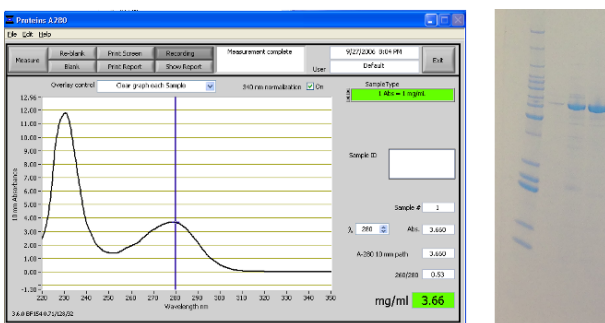


図 15 UV 計測と SDS-PAGE によるタンパク質サンプルの品質チェック

よび濃度の確認を行います（図 15）。この段階でアミノ酸配列情報をご提供頂く必要はありません。純度または濃度が不十分であった場合、直ちにお客様にデータと共にご連絡いたします。本データは、結晶化スクリーニングおよび X 線回折実験の結果の参考データとしても用います。

この段階で結晶化に適さない可能性があるると判明した場合、結晶化段階に進むか、中止にするか、お客様が選択可能です。中止した場合は、AgroBox® No.1 の見積額の 1/10 の金額の請求となります。なお、単純な濃度不足の場合では、十分なサンプル量があれば、当社で濃縮作業（遠心式限外ろ過フィルター）を実施することも可能です（★無料：ただしサンプルロス時の保証はございません）。

2. 一次結晶化スクリーニング

結晶化条件探索実験として、様々な条件の結晶化溶液と高濃度タンパク質/核酸溶液を混合させて、数日から数週間静置します。結晶化溶液は、レポートリー豊富にご用意した市販のスクリーニングキット（表 1）の中から、基本 Box および追加 Box A~F からを選択いただきます。基本的には、20°C でシッティングドロップ蒸気拡散法を用いた結晶化スクリーニングを行います（96×5=480 条件）（※4°C または任意の温度をご希望の方は、別途ご相談ください）。結晶化プレートは、結晶化ロボット（SPT Labtech 社製 mosquito）を用いて作成します（図 16）。480 条件のス

クリーニングを行うためには、10 mg/mL 以上の濃度のタンパク質溶液が 125 μ L 必要になります（0.20 μ L 分注）。

※脂質キュービックフェーズ（LCP）法による膜タンパク質結晶化をご希望の方は別途ご相談ください（別料金）。



図 16 タンパク質結晶化用ナノリッター分注機 mosquito Xtal3（SPT Labtech 社製）を用いた結晶化スクリーニング

一次結晶化で利用可能なスクリーニング溶液セット一覧（表1）

	結晶化スクリーニングキット名	サプライヤー	溶液数	製品 No
1	Index	HAMPTON RESEARCH	96 条件	基本 Box No.1 
2	Crystal Screen および 2	HAMPTON RESEARCH	96 条件	
3	PEG/Ion および 2	HAMPTON RESEARCH	96 条件	
4	Wizard Classic 1 および 2	Emerald Bio (RIGAKU)	96 条件	
5	JCSG-plus	Molecular Dimensions	96 条件	
6	MembFac	HAMPTON RESEARCH	合わせて	追加 Box A 
	Stura FootPrint Screens	Molecular Dimensions	96 条件	
7	Wizard Cryo 1 および Cryo 2	Emerald Bio (RIGAKU)	96 条件	
8	Protein Complex Suite	NeXtal Biotechnologies	96 条件	
9	PEGs II Suite	NeXtal Biotechnologies	96 条件	
10	MIDASplus	Molecular Dimensions	96 条件	追加 Box B (膜タンパク質の場合利用推奨) 
11	MemGold Eco Screen	Molecular Dimensions	96 条件	
12	MemGold 2	Molecular Dimensions	96 条件	
13	MemStart & MemSys	Molecular Dimensions	96 条件	
14	MemPlus & MultiXtal	Molecular Dimensions	96 条件	
15	JBScreen Membrane 1-4	Jena BioScience	96 条件	追加 Box C (膜タンパク質の場合利用推奨) 
16	MemChannel	Molecular Dimensions	96 条件	
17	MemTrans	Molecular Dimensions	96 条件	
18	PACT Premier	Molecular Dimensions	96 条件	
19	Morpheus	Molecular Dimensions	96 条件	
20	Morpheus II	Molecular Dimensions	96 条件	追加 Box D 
21	Shotgun 2 (SG2)	Molecular Dimensions	96 条件	
22	The BCS Screen	Molecular Dimensions	96 条件	
23	ProPlex Screen	Molecular Dimensions	96 条件	
24	LMB Crystallization Screen	Molecular Dimensions	96 条件	
25	The PGA Screen	Molecular Dimensions	96 条件	追加 Box E (核酸の場合利用推奨) 
26	JBScreen Pentaerythritol 1-4	Jena BioScience	96 条件	
27	HELIX	Molecular Dimensions	96 条件	
28	Natrix & Natrix 2	HAMPTON RESEARCH	96 条件	
29	Nucleix Suite	NeXtal Biotechnologies	96 条件	
30	JBScreen Nuc-Pro 1-4	Jena Bioscience	96 条件	追加 Box F 
31	JBScreen Basic 1-4	Jena Bioscience	96 条件	
32	JBScreen Classic 1-4	Jena Bioscience	96 条件	
33	JBScreen Classic 5-8	Jena Bioscience	96 条件	
34	MPD Suite	NeXtal Biotechnologies	96 条件	
35	The Ligand-Friendly Screen	Molecular Dimensions	96 条件	

※任意のスクリーニングキットをご選択いただく事も可能です（別料金）。

【スクリーニング溶液おすすめ組み合わせ】

- 可溶性タンパク質通常推奨セット（基本 Box+追加 Box A、@20°C）[10 プレート/960 条件]
- 膜タンパク質推奨セット（基本 Box+追加 Box A & B & C、@20°C）[20 プレート/1920 条件]
- 核酸推奨セット（基本 Box+追加 Box E、@20°C）[10 プレート/960 条件]
- 全部入りセット（基本 Box+追加 Box A & B & C & D & E & F、@20°C）[35 プレート/3360 条件]
- パーフェクトセット（基本 Box+追加 Box A & B & C & D & E & F、@20°C+4°C）[70 プレート/6720 条件]

3. 結晶観察

結晶化プレート上の結晶の発生を確認するため、顕微鏡を用いて定期的に観察します。結晶発生は、早くても数日、遅いものでは1か月以上の時間が必要です。また結晶化プレート上には、タンパク質/核酸の結晶だけではなく、結晶と見間違える沈殿や、沈殿剤などに含まれる塩の結晶が生じることも珍しくありません。当社では、定期的に結晶を写真撮影し、研究者が結晶の判定を行います（**図 17**）。創薬用の複合体結晶の作成が目的だった場合、結晶の発生に数か月以上かかるような条件は実用的でないため、結晶化プレートの保存期間は最大2か月としております。

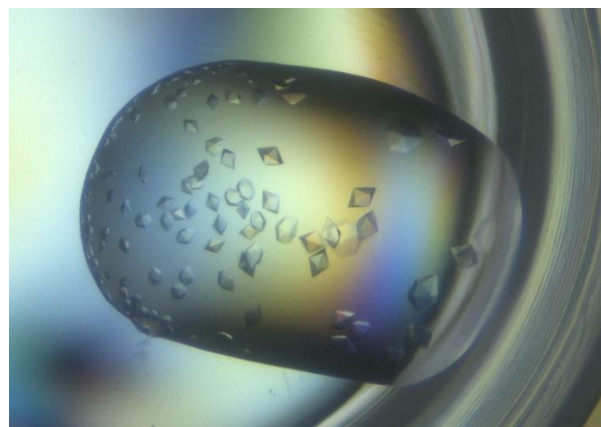


図 17 結晶観察

4. 結晶品質チェック

結晶化スクリーニングにより結晶が得られた場合は、X線照射によって結晶の質（分解能、回折点の形状、モザイク性など）を確認します。

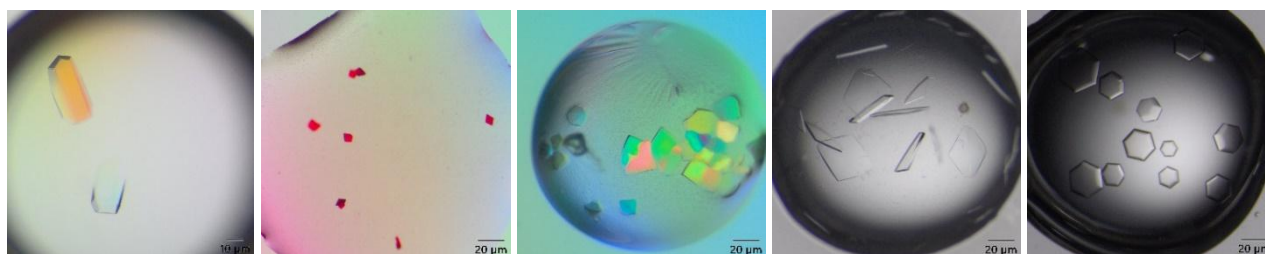
はじめに、結晶が得られている溶液条件（結晶化条件）を確認します。条件によっては、特別な操作をせずに結晶凍結へと進みますが、結晶品質チェックに影響があると当社研究者が判断した場合は、結晶化溶液組成を参考に、代表的な抗凍結剤を含む溶液へ結晶を浸します（AgroBox® No.3 ではこの条件検討を行います）。つづいて、ループを用いて結晶の回収を行った後に、結晶を凍結し、SPring-8、KEK/PF、AichiSR、SLS、ESRF の各放射光施設を用いて、クライオ条件下でのスナップショット（結晶を回転させず

に 1~2 点のみ測定）により結晶の評価を行います（AgroBox® No.2~4 をご購入の場合は、十分な回折点を得られたときにフルデータ測定を行う場合があります）。

以上の測定から、当社研究者が AgroBox® No.2 の「結晶化条件最適化」に進める適切な結晶化条件を選出します。



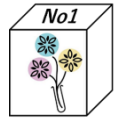
図 18 ループを用いた結晶回収



[タンパク質 A・化合物 A 共結晶] [タンパク質 B・化合物 B 共結晶] [タンパク質 C・化合物 C 共結晶] [タンパク質 D・化合物 D 共結晶] [タンパク質 E・アポ型結晶]

図 19 当社で構造解析に成功したタンパク質結晶

AgroBox® No.1 サービス内容



基本 Box (480 条件) 【1box 料金単位必要】

結晶化ロボット (Mosquito) を用いて、結晶化実績が高い基本 Box の 5 キット (9 6 ウェルプレート 5 枚分、表 1 参照) による計 480 条件の結晶化スクリーニングを行います。その後、経時的な結晶観察を実施し、良好な結晶を当社研究者が判定します。最終的にそれらの結晶に対して放射光施設にて X 線を照射し、最大 25 条件の結晶品質チェックを行います。

ご用意いただくもの：

・5 キット (5 プレート) 分の結晶化には、1.25 mg 以上のタンパク質溶液をご用意ください (10 mg/mL を 125 μ L 推奨) をご用意ください。核酸の場合は別途ご相談ください。
※ご用意可能なタンパク量が上記条件に足りない場合は、ご相談ください。この半分量でも実施できる可能性があります。

納品物：

・レポート
結晶観察の結果：生成した結晶の写真データ、詳細な結晶化条件
結晶品質チェック：X 線回折写真およびオリジナルデータ

追加 Box A, B, C, D, E, F (各 480 条件以上追加) 【0.5box 料金単位必要】

基本 Box に加えて、追加 Box 1 つにつき 480 条件 (9 6 穴プレート 5 枚) の結晶化スクリーニングを追加することができます。結晶化の温度を 4°C に変えることもできます。追加 Box に 1 つにつき最大 25 条件の結晶品質チェックを行います。

ご用意いただくもの：

・タンパク質溶液 (10 mg/mL 以上推奨) を 1 プレートあたり 25 μ L (0.25 mg)。核酸の場合は別途ご相談ください。

納品物：

・レポート
結晶観察の結果：生成した結晶の写真データ、詳細な結晶化条件
結晶品質チェック：X 線回折写真およびオリジナルデータ

追加 Box RF (RNase Free 作業オプション) 【0.5box 料金単位必要】

RNA を含むサンプルの結晶化には、追加 Box RF (RNase Free 作業オプション) をご利用ください。結晶化は、20°C で長期間 (数日 ~ 2 ヶ月) の長期間のインキュベーションを行うため、RNase がコンタミすると RNA が分解する可能性があります。本追加 Box は RNase Free 条件で結晶化を行うことにより、RNA の分解を防止します。

内容

- ・RNase Free 区画で実験を実施
- ・RNase Free 器具を利用
- ・未開封の結晶化試薬を利用

※価格は、別途価格表をご覧ください (<https://agrobox.jp>)。

AgroBox® No.1
タンパク質 1.25 mg 以上 をご用意ください

※ご用意が難しい場合はご相談ください。

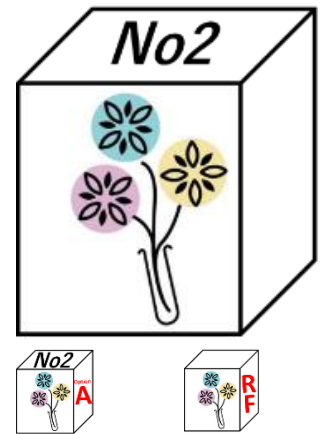
※核酸はお問合せ下さい

AgroBox® No.2 結晶化条件の最適化

タンパク質 核酸

結晶の質を向上させる

※精製されたタンパク質・核酸 (DNA/RNA) が必要です。



1. 二次結晶化スクリーニングおよび結晶観察

AgroBox® No.1 の 1 次結晶化スクリーニング条件をもとに、さらに詳細な条件検討を行い、結晶の質を向上させます。一次結晶化スクリーニングだけでは、ほとんどの場合は質の良い結晶を得ることができません。そのため、より詳細な結晶化条件を検討する二次結晶化スクリーニングを行う必要があります。しかし、結晶の「見た目（大きさや形）」と「質（分解能や結晶性）」は、必ずしも相関しないため、結晶の見た目だけから良い条件を絞ることはできません。もし一次結晶化スクリーニングで結晶が生成した条件が多数あると、条件を絞ることができず、二次結晶化スクリーニングも多くの条件を試す必要があります。そのため、間違った選択をすると、三次、四次…とスクリーニングのやり直しを行い続けることになります。

一方、本サービスでは AgroBox® No.1 の結晶品質チェック (X 線回折のスナップ測定) の結果に基づき、二次結晶化スクリーニングを行うため、効率的かつ迅速な条件最適化が可能になります。これに加えて、当社研究者の豊富な経験に基づき結晶化溶液マトリックス溶液をデザインし、

バッファー自動調製システム Dragonfly にて溶液を調製するため、極めて高い成功率が期待できます。

具体的な作業は以下の通りです。一次結晶化スクリーニングおよび品質チェックの結果に基づき、当社研究者が 1 プレート分の 96 条件の結晶化溶液マトリックス溶液 (pH、沈殿剤、塩濃度など) をデザインおよび調製し、二次結晶化スクリーニングプレートの作成と定期的な結晶観察を行います (図 20)。この二次結晶化スクリーニングでは、一次結晶化スクリーニング (AgroBox® No.1) で見つかった元の結晶化溶液条件 (元溶液) のうち、最大で 4 種類の元溶液の条件最適化を行います (24~96 種の周辺条件/1 種類の元溶液)。結晶化は基本的にシッティングドロップ法で行いますが、当社研究者の判断でハンギングドロップ法を行う場合もあります。結晶化は、通常 20°C で行います (任意の温度をご希望の場合は、別途ご相談ください)。96 条件のスクリーニングを行うためには、10 mg/mL 以上の濃度のタンパク質溶液が 25 μ L 必要になります (0.20 μ L 分注)。

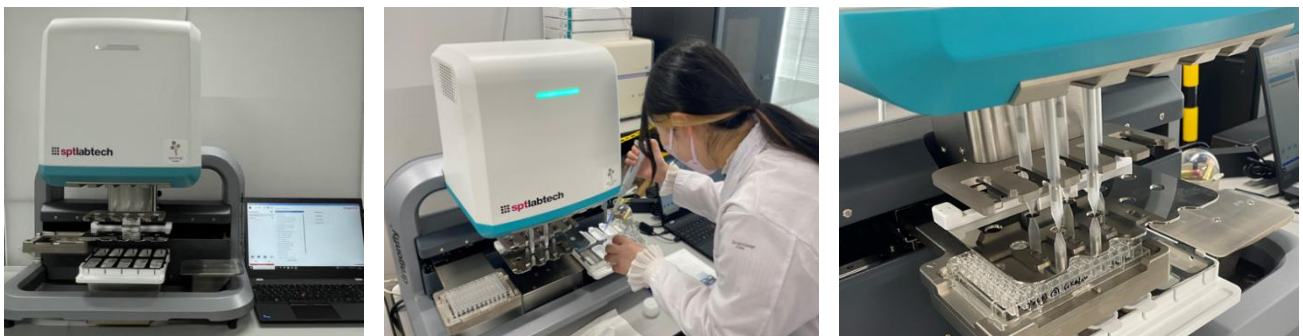


図 20 バッファー自動調製システム dragonfly discovery (SPT Labtech 社製) を用いた結晶マトリックス溶液調製

2. 結晶品質チェック

一次結晶化スクリーニング後の結晶品質チェック (AgroBox® No.1) と同様に、二次結晶化条件スクリーニングによって得られた結晶についても X 線照射による結晶の質の評価を行います。

結晶化条件の溶液組成に応じて抗凍結剤を選択し、ループを用いて結晶の回収を行った後、結晶を凍結します。凍結結晶は、SPring-8、PF、AichiSR、SLS、ESRF の各放射光施設を用いて、クライオ条件下でのスナップショット

(結晶を回転させずに 1~2 点のみ測定) により結晶の評価を行います。※AgroBox® No.2~4 をご購入の場合は、十分な回折点が得られたときにフルデータ測定を行う場合があります。

以上の測定から、当社研究者が AgroBox® No.3 の「フルデータ測定用結晶準備」に進める適切な結晶化条件を選び出します。

AgroBox® No.2 サービス内容



基本 Box (96 条件) 【1box 料金単位必要】

1 プレート (96 条件) 分の結晶化溶液マトリックス溶液を調製し、一連の条件最適化を行います。本サービスでは、結晶化プレート 1 枚 (96 条件) あたり、最大で 20 個の結晶の品質チェックを行います。

ご用意いただくもの：

- ・基本 Box(1 プレート)の結晶化のためには、0.3 mg 以上のタンパク質をご用意ください (10 mg/mL で 30 μ L 推奨)。核酸の場合は別途ご相談ください。
- ※タンパク量が足りない場合は、ご相談ください。この半分でも実施できる可能性があります。

追加 Box A (96 条件追加) 【0.5box 料金単位必要】

追加で 1 プレート分 (96 条件) の結晶化溶液マトリックス溶液を追加することも可能です。本サービスでは、結晶化プレート 1 枚 (96 条件) あたり、最大で 20 個の結晶の品質チェックを行います。

納品物：

- ・レポート
結晶観察の結果：結晶が生成したドロップの写真データ
結晶品質チェック：X 線回折写真およびオリジナルデータ

追加 Box RF (RNase Free 作業オプション) 【0.5box 料金単位必要】

RNA を含むサンプルの結晶化には、追加 Box RF (RNase Free 作業オプション) をご利用ください。結晶化は、20°C で長期間 (数日~2 ヶ月) の長期間のインキュベーションを行うため、RNase がコンタミすると RNA が分解する可能性があります。本追加 Box は RNase Free 条件で結晶化を行うことにより、RNA の分解を防止します。

内容

- ・RNase Free 区画で実験を実施
- ・RNase Free 器具を利用
- ・未開封の結晶化試薬を利用

※価格は、別途価格表をご覧ください (<https://agrobox.jp>)。

AgroBox® No.2
タンパク質 0.3 mg 以上 ご用意ください

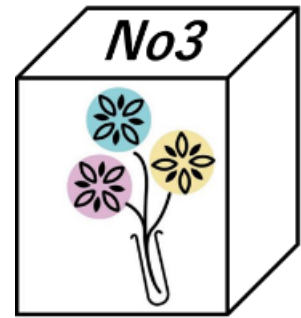
※ご用意が難しい場合はご相談ください。

※核酸はお問合せ下さい

AgroBox® No.3

フルデータ測定用結晶の準備

タンパク質 核酸



測定用結晶の凍結

※精製されたタンパク質が必要です。※核酸 (DNA/RNA) の結晶化も可能です。

※AgroBox® No.3~6 を合わせてご購入することをお勧めします。

AgroBox® No.2 の結果に基づき、測定に必要なクライオ条件の検討と結晶の凍結保存を行います。

1. 結晶化&結晶観察

AgroBox® No.2 (二次結晶化スクリーニングおよび結晶品質チェック)の結果に基づいて、本番のフルデータ測定用の結晶を複数個作成します。AgroBox® No.2 の結晶品質チェックで良い回折像が得られた溶液条件について、最大4条件まで、96ドロップ (合計1プレート分) の結晶化作業お

よび観察を行います。本サービスでは、10 mg/mL 以上の濃度のタンパク質溶液が 50 μ L 必要になります (0.50 μ L 分注)。タンパク質サンプル量の削減をご希望の方は、ウェル数を削減して結晶を仕込むことも可能です。

2. 結晶凍結 (クライオ条件検討含む)

結晶構造解析に用いる放射光は高いエネルギーを持っているため、放射線損傷が問題となります。放射線損傷を受けると結晶中の分子の並びが乱され、回折測定が出来なくなります。そのため、測定の際には結晶は極低温(100 K)の窒素ガス気流中で凍結されたまま (クライオ条件) 測定することで、放射線損傷を防ぎます (十分な大きさの結晶でも常温で測定すると1つの結晶からデータを取れるのは10°程度ですが、クライオ条件で測定することにより360°分の測定が可能です)。

ただし、この凍結の際に水が結晶性の氷に成長するとノイズの原因になるだけでなく、タンパク質結晶の破壊にも繋がります。そのため、抗凍結剤を加えてアモルファス状の氷になる条件で結晶を回収することが行われます。抗凍結剤となるのは有機溶媒や高分子 (グリセロール、エチレングリコール、2-Methyl-2,4-pentanediol、Polyethylene Glycol)、糖類 (トレハロース、スクロース) などがよく使われます。

本基本 Box では、1プレート分の結晶を仕込み、そこから生じた結晶を最大32個 (Uni-Puck2個分) 回収します。

具体的には、まず AgroBox® No.2 の結果をもとに結晶化プレートにタンパク質と沈殿剤を混合した溶液を仕込みます。なお、この時に DragonFly を利用して微妙に pH や塩濃度の勾配を作成することもあります。結晶化プレートは 20°C または 4°C の定温環境で数日~数週間インキュベートを行います。インキュベート中は、数日おきに顕微鏡を用いて結晶発生の有無を観察します。十分な大きさの結晶が生じたら、ループがついたピンで結晶を拾い (フィッシング作業)、液体窒素にて凍結および保存を行います。

結晶は、必要以上に長時間インキュベートすると劣化を招くため、当社研究者の判断で適切な時期にサンプリングいたします。凍結作業する際には、結晶サイズに合わせて適切なサイズのループを用いて顕微鏡下で結晶化を拾います。その後、溶媒を抗凍結剤溶液に置換した後、液体窒素に漬けて瞬間凍結します。

この一連の作業は、熟練の技術が必要であり、作業者の経験によって測定結果が変わってきます。例えば、タンパク質結晶は、一つのドロップに一つ生成するとは限らず、形も様々です。結晶同士が張り合わさる、沈殿の中に生じ

るなど、回収することが困難なものも頻繁にあります。良質な結晶への物理的なダメージを最小限にしつつ、X線回折測定時に重要な結晶マウント（結晶の向き・数）を考慮して回収する必要があります。

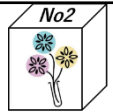
凍結した結晶は、サンプルピン保管容器（Uni-Puck）を

用いて保存します。Uni-Puck は、世界中の放射光施設の結晶マウントシステム（結晶交換ロボット）に対応しているため、ドライシッパーを使い液体窒素冷却したまま放射光施設へ送ります。



図 21 結晶サンプリング

AgroBox® No.3 サービス内容



基本 Box（96 条件）【1box 料金単位必要】

1 プレート分（96 ウェル）の結晶化を行います。結晶化溶液は、4 条件まで対応可能です。※結晶化条件数（最大 4 条件）×クライオ条件数（3 種）×同条件の結晶複数回収 = 結晶 32 個（Uni-Puck 2 個分）まで結晶の凍結を行います。

追加 Box A（96 条件追加）【0.5box 料金単位必要】

基本 Box と同様のサービス内容で、結晶 16 個（Uni-Puck 1 個分）の追加準備が可能です。

追加 Box RF（RNase Free 作業オプション）【0.5box 料金単位必要】

RNA を含むサンプルの結晶化には、追加 Box RF（RNase Free 作業オプション）をご利用ください。結晶化は、20°C で長期間（数日～2 ヶ月）の長期間のインキュベーションを行うため、RNase がコンタミすると RNA が分解する可能性があります。本追加 Box は RNase Free 条件で結晶化を行い、RNA の分解を防止します。

※価格は、別途価格表をご覧ください（<https://agrobox.jp>）。

ご用意いただくもの：

- ・基本 Box (1 プレート) の結晶化のためには、0.5 mg 以上のタンパク質をご用意ください (10 mg/mL で 50 μ L 推奨)。核酸の場合は別途ご相談ください。
- ※タンパク量が足りない場合は、ご相談ください。この半分でも実施できる可能性があります。

納品物：

- ・結晶観察結果のレポート
- ・サンプリングおよび凍結を行った結晶化ドロップの写真データ

内容

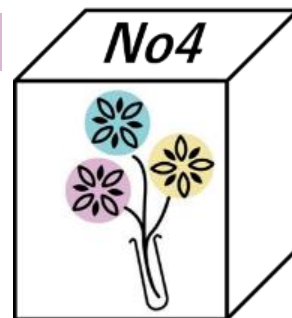
- ・RNase Free 区画で実験を実施
- ・RNase Free 器具を利用
- ・未開封の結晶化試薬を利用

AgroBox® No.3
タンパク質 0.5 mg 以上 をご用意ください

※ご用意が難しい場合はご相談ください。※核酸はお問合せ下さい

AgroBox® No.4 フルデータ測定

タンパク質 核酸



放射光施設で回折実験

※必ず AgroBox® No.3 と併せてご利用ください (No3 で準備した結晶が必要です)

※AgroBox® No.3~6 を合わせてご購入することをお勧めします。

※データ測定代行のみご希望のお客様は、放射光測定サービスをご利用ください (別料金体系)。

AgroBox® No.3 で凍結保存した結晶を使用し、放射光施設での X 線回折実験を行います。回折像の生データをご提供いたします。

1. 結晶データ自動測定 (SPring-8, PF, SLS/ESRF)

作成したタンパク質/核酸の結晶は、構造解析のために放射光施設において X 線結晶回折実験を行います。X 線測定のためのビームタイム (測定割当時間) は、1 年を通してほぼ毎週確保しています。放射光施設としては、国内の SPring-8 および高エネルギー加速器研究機構 Photon Factory (PF) を主に使用し、これら 2 施設が運転休止中の夏期および春季は、海外の Swiss Light Source (SLS) を利用します {2025 年 7 月までは、SLS が建替え中のため、European Synchrotron Radiation Facility (ESRF) を利用します}。当社研究者が各サンプルに最適な施設や測定手法を

選択します (SLS/ESRF 利用の場合も追加料金は不要です)。基本 Box1 つに対し、結晶保存用カートリッジである Uni-Puck 2 個分 (32 サンプル) の単結晶 X 線回折フルデータの測定を行います。結晶のサイズや数に応じて、通常のシングルモード以外に、放射線損傷を軽減したヘリカルモード (SPring-8 のみ)、複数の結晶を用いたマルチモード (SPring-8 のみ) での測定を実施します。基本的に自動測定モードで行いますが、測定が難しい結晶の場合は、当社研究者の判断でマニュアル操作での測定を実施いたします。

2. 夏期期間 AichiSR で測定 (無料オプション: お客様希望時)

SPring-8 や PF は、夏期期間の長期運転休止期間 (通常 8~10 月上旬) があります。この期間は、スイスの SLS またはフランス ESRF もご利用が可能ですが、『海外へのサンプル送付は避けたい』という場合は、AichiSR での測定が可能です。SPring-8、PF、SLS、ESRF に比べるとビーム強度は落ちますが、当社実績として 1.15 \AA という高分解能での構造決定実績があります (同結晶の SPring-8 での最も良い分解能は 0.83 \AA)。創薬用であれば 2.0 \AA は十分な分解能と言えますので、AichiSR でも十分に創薬用の構造解析が可能です。既にアポ酵素や他のリガンド結合状態

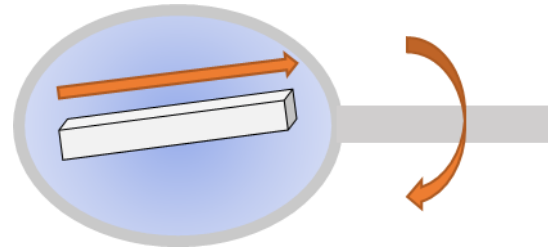
の構造が他放射光施設で解析済みで、その分解能が 2.0 \AA を切るような場合は、ご選択ください。



3. 大きな結晶：ヘリカルモード測定（無料オプション：SPring-8 のみ可）

結晶サイズが 200 μm 以上ある場合には、ヘリカルモードでの測定がデータの質向上に有効です。X 線の照射位置を移動させながら測定を行うことで、放射線損傷を軽減させます。これにより、1 か所に X 線を当てて回転測定を行うシングルモードでの測定よりも質の高いデータが期待できます。

通常の測定より時間はかかりますが、追加料金なしでご利用可能です。有効であると当社研究者が判断した場合、このモードを積極的に利用します。

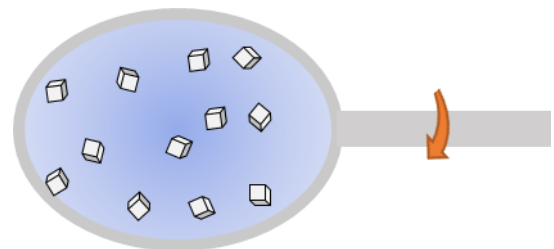


4. 小さな結晶：マルチモード測定（無料オプション：SPring-8 のみ可）

結晶サイズが 50 μm 未満または 1 つの結晶のみをループに回収するのが困難な場合には、マルチモードでの測定が有効です。一つのループに 10~50 個の結晶を乗せた状態で凍結し、各結晶から 10° 分の回折データ収集を行います。その後に各データを統合することで構造解析が可能なフルデータが得られます。この手法を使うことで、従来のシングルモードでは不可能だった小さな結晶からも構造解析が可能です。

SPring-8 では自動測定でも利用が可能です。通常の測定

より時間はかかりますが、追加料金なしでご利用可能です。有効であると当社研究者が判断した場合、このモードを積極的に利用します。



AgroBox[®] No.4 サービス内容



基本 Box（結晶 32 個まで）【1box 料金単位必要】

結晶（ループ）32 個まで測定を実施します。測定手法は、結晶に合わせて最適な手法を選択します。

追加 Box A（結晶 16 個追加）【0.5box 料金単位必要】

基本 Box と同様のサービス内容で、結晶（ループ）16 個の追加測定をします。※結晶の準備およびデータ処理のために AgroBox[®] No.3、AgroBox[®] No.5 の追加 Box も同数ご購入下さい。

ご用意いただくもの：

特にありません（本 Box は、AgroBox[®] No.3 をご利用いただいた方限定です）

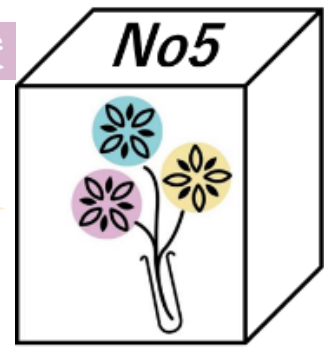
納品物：

- ・ X 線回折実験フルデータ測定のレポート
- ・ 測定に供したループの写真の画像データ
- ・ 測定ループの X 線スキャンのヒートマップ画像データおよび生データ
- ・ X 線回折像フルデータセットの生データ

※価格は、別途価格表をご覧ください（<https://agrobox.jp>）。

AgroBox® No.5 X線回折データ処理

タンパク質 核酸



データ処理して結晶の質を確認

※AgroBox® No.4 で測定した回折データの処理のための Box です。

※AgroBox® No.3~6 を合わせてご購入することをお勧めします。



放射光施設にて測定した X 線回折データの処理を行い、どの結晶がモデリングに適しているかを報告いたします。各結晶のデータの質について解説した報告書と構造因子 F データ (mtz ファイル形式) をご提供します。

1. 自動データ処理

測定した X 線回折データは、各放射光施設に適した方法でのデータ処理が必要です (図 22)。SPring-8 ビームラインで取得したデータの処理は、自動データ処理ソフトウェア KAMO (ZOO システム内) を利用します。高エネルギー加速器研究機構 Photon Factory (KEK PF) にて取得したデータは、PReMo に内蔵された自動データ処理ソフトウェアを用いて X 線回折データの自動処理を行います。得られた結晶学的パラメータ統計値を当社研究者がチェックし、適切な空間群・分解能での処理結果をご提供します。※自動データ処理ソフトウェアの利用には、各種ソフトウェアライセンスが必要になりますが、当社がソフトウェア

提供組織と契約しており、そのライセンス料相当分は当 Box の価格に含まれます。

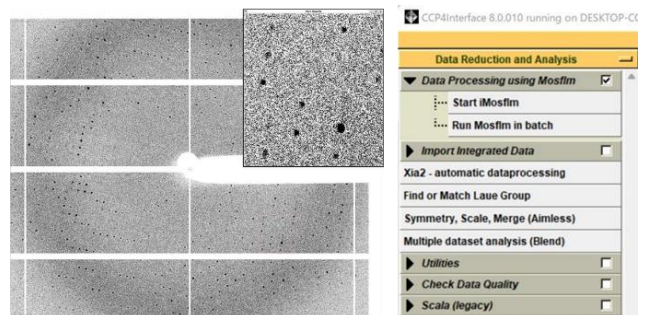


図 22 XDS、CCP4 を用いた X 線回折像のデータ処理

2. マニュアルデータ処理

各ビームラインに搭載された自動処理ではうまく処理できない難しい結晶の場合や、さらに高度な処理が必要な場合、XDS、Xia2 などの X 線回折データ処理ソフトウェアを利用し、回折データの選択、同サンプルデータのマージなど、当社研究者によるマニュアル処理を行います。これに

より最も統計値が優れた構造因子 F データをご提供することが可能です。

マニュアルデータ処理が必要な結晶かどうかは実際に測定してみるまで分かりません。そのため、マニュアルデータ処理が必要になっても、追加料金は必要ございません。

3. モデリングに適した回折データを選択

最終的に、得られた全データに関して、空間群・分解能などをリスト化及び整理し、各データの質を解説するとともに、どの測定データがモデリング (AgroBox® No.6) を実施するのに適しているかについての見解を述べる報告書

を作成いたします。AgroBox® No.6 もご注文のお客様に対しては、この報告をもとにしてお客様とご相談し、AgroBox® No.6 においてモデリングを行うデータを決定いたします。

AgroBox® No.5 サービス内容



基本 Box (結晶 32 個まで) 【1box 料金単位必要】

AgroBox® No.4 にて測定した結晶 32 個分まで (Uni-Puck 2 個分) についてデータ処理を実施し、得られた構造因子データをご提供します。結晶 32 個分までは、すべて基本 Box 内でデータ処理します (回折点が現れなかったデータ処理不能な結晶についても 1 個にカウントされます)。

追加 Box A (結晶 16 個まで) 【0.5box 料金単位必要】

基本 Box と同様のサービス内容で、結晶 16 個の追加データ処理を行います。※結晶の準備および測定のために AgroBox® No.3、AgroBox® No.4 の追加 Box も同数ご購入下さい

ご用意いただくもの：

- ・特に必要ございません。

納品物：

- ・ X 線回折データ処理の報告書
- ・ 構造因子データ (mtz 形式)
- ・ 回折データ処理のログなど全ファイル

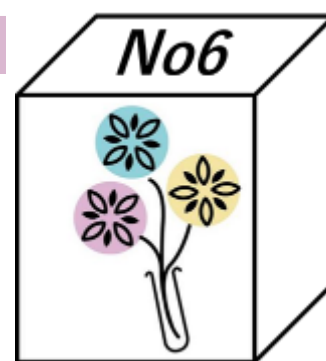
※価格は、別途価格表をご覧ください (<https://agrobox.jp>)。



研究写真ギャラリー：ハスモンヨトウ幼虫 (蛾の仲間：重要な農業害虫)

AgroBox® No.6 構造モデリング

タンパク質 核酸



構造を見える形へ

※タンパク質のアミノ酸配列・核酸配列の情報提供が必須になります。

※AgroBox® No.3~6 を合わせてご購入することをお勧めします。

X 線回折データは構造モデリングを行うことで、初めてその立体構造を人が見ることができるようになります。分子置換法により決定した立体構造モデルと電子密度マップをご提供します。

1. 分子置換法のためのサーチモデルの準備

タンパク質の立体構造を人の目に見えるようにするためには、位相決定、構造モデリングという作業が必須です。本 Box では、位相決定のために分子置換法を用います。分子置換法は、サーチモデル（類似タンパク質の立体構造情報がある場合や、高精度な構造予測モデル）がある場合に利用可能な方法です。分子置換をするためには、最初に類似タンパク質の構造を用意する必要があります。本 Box では、Protein Data Bank (PDB)に登録されている類似のタンパク質/核酸構造データを探します。この際にお客様よ

りご提供いただいたアミノ酸配列をもとに、PDB データに対して BLAST などを行います（※探索はセキュアな社内サーバにて行います）。分子置換法に利用可能な構造が PDB にない場合は、当社で予測構造を構築いたします。類似構造が全く存在せず、分子置換ができない場合は、実験的な位相決定が必要となり、多大なコストがかかります（AgroBox® Pro αで実施が可能です）。もし、お客様で構造決定された類似タンパク質/核酸構造がある場合、必要に応じ、ご提供いただく事も可能です。

2. 分子置換法による初期位相決定とモデリング

次にサーチモデルを利用して初期位相を決定した後、電子密度マップにアミノ酸などはめ込んでいきます（構造モデリングおよび構造精密化）。この作業では、CCP4 ソフトウェアスイートを利用します。この作業の後、構造が分子ビューワーにて表示可能となります（図 24）。モデル精密化は手動で調整するため、必要に応じて2つのグレード（創薬グレード、論文グレード）を用意しております。

創薬グレード（基本 Box）

基本 Box の分子モデリングでは、薬剤デザインに十分な情報が得られる化合物結合部位周辺（約 15 Å 以内）に絞った構造精密化を行います。結合することが判明している補酵

素や金属イオンなどについては、それらを含めて構造精密化することも可能です（結合部位の情報提供が必要です）。

論文グレード（追加 Box A）

論文執筆用（Protein Data Bank 登録用）にタンパク質/核酸全体を含めた高クオリティーな構造精密化を実施します。具体的には、豊富な論文発表経験をもつ研究者が全てのアミノ酸残基をモデリングし、ラマチャンドラプロット、MolProbity スコア、R/Rfree 値、Bond length/angle の rmsd 値などの総合的なバリデーションを行います。これにより、論文投稿および PDB 登録が可能なクオリティーのデータをご提供します。PDB 登録サポートも致します。



図 23 当社の構造生物学研究者による構造モデリング

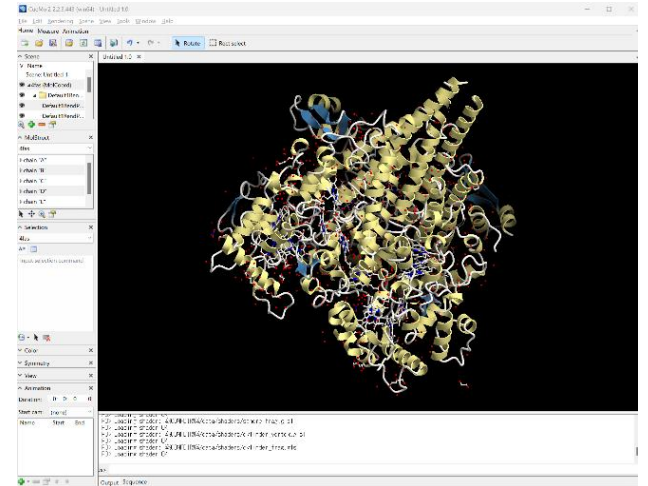


図 24 タンパク質構造の CueMol (<http://www.cuemol.org>) による表示。構造モデリングが完了すると分子ビューワーにて表示可能なファイル形式となる。

AgroBox® No.6 サービス内容

基本 Box (創薬グレード) 【1box 料金単位必要】

基本 Box は「創薬グレード」の分子モデリングとして、薬剤デザインに十分な情報を得ることができる化合物の結合部位周辺 (約 15 Å 以内) のアミノ酸/核酸の構造精密化を行います。補酵素や低分子化合物が入った構造の場合、これらを含めた構造精密化を行うことも可能です。

ご用意いただくもの：

- ・タンパク質のアミノ酸配列情報/核酸の配列情報

納品物：

- ・構造モデリングのレポート
- ・立体構造モデル (PDB 形式) ※活性中心付近を精密化
- ・構造精密化後の構造因子データ (mtz 形式)

追加 Box A (論文グレード) 【2box 料金単位必要】

「論文グレード」では、豊富な論文発表経験をもつ研究者が全てのアミノ酸残基をモデリングし、ラマチャンドラプロット、MolProbity スコア、 R/R_{free} 値、Bond length/angle の rmsd 値などの総合的なバリデーションを行い、論文投稿および PDB 登録が可能なクオリティーのデータをご提供いたします。タンパク質全体について構造精密化を進めることで、電子密度マップの改善が期待できます。

追加サポート内容

- ・構造全体の精密化
- ・PDB 登録サポート

注：タンパク質サイズの制限は特に設けておりませんが、超高分子量のタンパク質/核酸に関しては追加料金が発生する可能性があります。

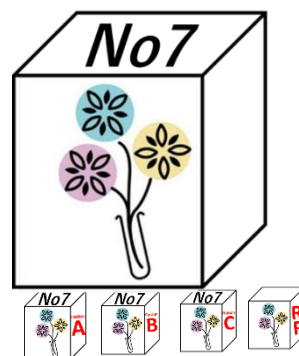
※本 Box は、2 box 料金単位分の料金になります (基本 Box と併せて 3box 料金単位分の料金が必要です)。

※価格は、別途価格表をご覧ください (<https://agrobox.jp>)。

AgroBox® No.7 リガンド複合体解析

タンパク質 核酸

創薬に必要なデータ収集



※精製されたタンパク質、およびリガンドとなる化合物の準備が必要です。

※AgroBox® No.1~6 (またはお客様側で同様な解析) 実施済みの場合にご利用可能です。

構造ベース創薬 (Structure-Based Drug Design : SBDD) のために、タンパク質-リガンド複合体構造を多数収集します。

1. 複合体形成方法の探索(共結晶化&ソーキング)

タンパク質結晶構造を利用した薬剤デザイン (構造ベース創薬 : SBDD) を行うための、タンパク質-リガンド複合体構造を取得します。1種類のタンパク質に対し、多種の薬剤候補の低分子化合物を結合させて、各化合物とタンパク質の複合体結晶構造解析を行い、構造モデルおよび電子密度マップをご提供します。基本 Box には複合体結晶の調製条件の探索作業からフルセットで含まれています。複合体結晶構造解析を行うためには化合物が結合した状態の結晶を調製する必要があります。本 Box では、まず複合体形成方法の検討から行います。この方法として、①『共結晶化法 : 先にタンパク質と化合物を混合してから結晶化を行う』と、②『ソーキング法 : タンパク質のみの結晶を先に成長させ、後から化合物溶液に浸すことで複合体結晶を

得る』の2種類があります。どちらの手法が適切かはタンパク質によって異なります。①の共結晶化法では、化合物の性質によっては、結晶が形成しない (結晶化条件の再探索が必要) というリスクがあります。また、長時間の結晶化インキュベーションをするため、水溶媒中で壊れやすい化合物は、共結晶化ができません。②のソーキング法では、あらかじめ作成した結晶に化合物を添加した後、比較的短時間で凍結保存を行います。そのため、結晶化条件の再探索は不要であり、分解しやすい化合物にも適用可能です。しかし、結晶のパッキングの状況によっては、化合物がリガンドポケットに届かない (結合しない) 可能性があります。本 Box ではそれぞれの複合体形成法を試し、どちらが適しているか探索します。

2. フルデータ測定からモデリングまで

放射光施設に確保している当社ビームタイムを利用して、複合体結晶の X 線回折フルデータ測定を行います。利用可能な施設は、SPring-8、高エネルギー加速器研究機構 Photon Factory (KEK/PF)、AichiSR、Swiss Light Source (SLS) の4か所です。当社研究者が結晶のサイズや数に応じて、放射光施設、ビームライン、測定モードの適切な選択を行い、測定を行います。測定後は、AgroBox® No.5, No.6 と同様にデータ処理および化合物結合部位周辺 (約 15 Å 以内) の構造精密化を行います。

なお、初期のヒット化合物やリード最適化中の低分子化合物では、電子密度が明瞭に見えない場合も珍しくありません (p11 図 7)。そのため、低分子化合物の配置が複数考えられる場合が多々ありますが、当社がご提出する結合モデルは、電子密度のみに基づいて、当社基準に基づいてご提案いたします (※構造活性相関や MD などの他の情報を加えて複合体モデル構造を考察する場合は、別途コンサルティングプランとしてご提供が可能です。お問合せ下さい)。

AgroBox® No.7 サービス内容



基本 Box (2 化合物まで) 【2 box 料金単位必要】

化合物とタンパク質の複合体結晶の結晶化 (96 穴プレート 2 つ分)、結晶凍結 (例: 2 化合物×4 結晶×2 条件[共結晶またはソーキング]=16 条件)、フルデータ測定、X 線回折データ処理、構造モデリングをフルセットで行います。この際に、複合体結晶条件の探索 (共結晶およびソーキング) も併せて行います。Uni-Puck1 個分の合計 16 個の結晶を測定いたします。

※本 Box は、2 box 料金単位分の料金になります。

ご用意いただくもの

- ・タンパク質溶液 (濃度 10 mg/mL 以上推奨)
基本 Box: タンパク溶液 30 μ L (タンパク質 0.3 mg)
追加 Box A: タンパク溶液 30 μ L (タンパク質 0.3 mg)
- ・DMSO 溶解化合物 10~100 μ L (20 mM 以上推奨)
- ・タンパク質のアミノ酸配列情報
- ・化合物情報 (smiles 形式)
- ※化合物情報の提供を望まれない場合は、タンパク質モデリングまで当社で行い、化合物モデリングをお客様で行っていただく事も可能です。

追加 Box A (4 化合物まで) 【2 box 料金単位必要】

基本 Box で決定した複合体結晶の調製条件を利用し、追加化合物を最大 4 化合物の複合体結晶の結晶化 (96 穴プレート 2 つ分) (4 化合物×4 結晶=16 個) の測定と解析を行います。Uni-Puck1 個分の合計 16 個の結晶を測定いたします。

※本 Box は、2 box 料金単位分の料金になります。

納品物

- ・結晶調製から構造モデリングまでのフルセットのレポート
- ・立体構造モデル (PDB 形式)
- ・構造精密化後の構造因子データ (mtz 形式)

追加 Box RF (RNase Free 作業オプション) 【0.5box 料金単位必要】

RNA を含むサンプルの結晶化には、追加 Box RF (RNase Free 作業オプション) をご利用ください。結晶化は、20°C で長期間 (数日~2 ヶ月) の長期間のインキュベーションを行うため、RNase がコンタミすると RNA が分解する可能性があります。本追加 Box は RNase Free 条件で結晶化を行うことにより、RNA の分解を防止します。

※価格は、別途価格表をご覧ください (<https://agrobox.jp>)。

内容

- ・RNase Free 区画で実験を実施
- ・RNase Free 器具を利用
- ・未開封の結晶化試薬を利用

ボリュームディスカウント

追加 Box B (96 穴プレート)

最大 96 化合物に対してソーキング/共結晶構造解析を行います。対象となるタンパク質は 1 種です。96 穴プレート (または 384 穴プレートの一部) に DMSO 溶解化合物をご用意ください。

※個別お見積りします。お問合せ下さい

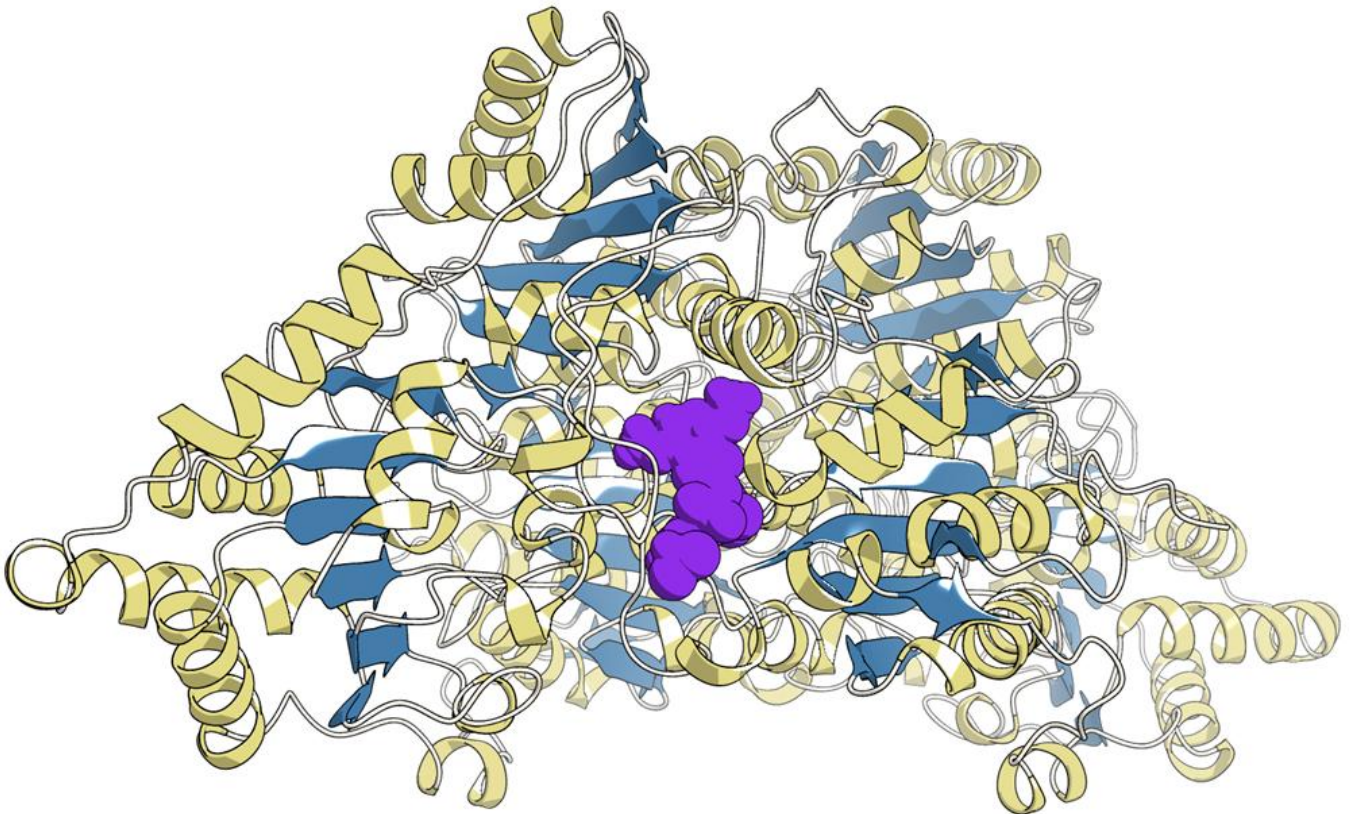
追加 Box C (384 穴プレート)

最大 384 化合物に対してソーキング/共結晶構造解析を行います。対象となるタンパク質は 1 種です。384 穴プレートに DMSO 溶解化合物をご用意ください。

※個別お見積りします。お問合せ下さい

AgroBox® No.7
タンパク質 0.3 mg 以上 ご用意ください

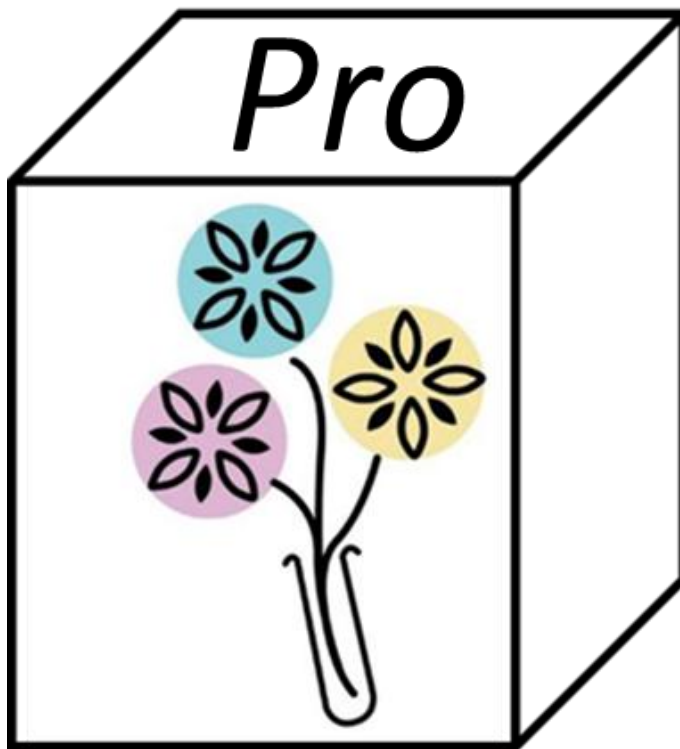
※ご用意が難しい場合はご相談ください。※核酸はお問合せ下さい



研究画像ギャラリー：農薬ターゲットタンパク質と阻害剤

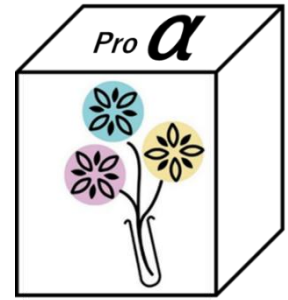
AgroBox[®] Professional

(高難度実験用 AgroBox[®])



AgroBox® Pro α 実験位相決定

タンパク質 核酸



新規フォールドの決定

※本 Box をご利用希望のお客様は、事前確認と個別のお見積りが必要になります。

Protein Data Bank (PDB) に類似構造が登録されていないような完全に新規フォールドの立体構造の場合、AgroBox® No.6 で実施する分子置換法では構造決定が出来ません。そのため、金属などの異常散乱原子を含んだ結晶から回折データを収集し、実験的に位相決定を行う必要があります。

1. 位相問題

モデル構築のために必要な電子密度マップを得るためには、構造因子(位相情報)が必要です。これは位相問題と呼ばれます。分子置換法では、適当な参考構造を元に比較的容易に位相情報を計算することが出来ます。参考構造と実構造が近い場合は、構造モデリング (AgroBox® No.6) が可能な電子密度マップを得ることが出来ますが、2つの構

造(フォールド)が大きく異なる場合は、解釈可能な電子密度マップを得ることが出来ません。この場合、実験的に位相情報を得る必要があります。実験位相決定実験では様々な試行錯誤が伴い、高い技術と豊富なノウハウが必要になります。

2. 実験的位相決定手法

新規フォールドの X 線結晶構造解析には、実験的に位相情報を得る必要があります。位相決定には、X 線の異常散乱を利用した複数の手法があり、多波長異常分散法 (Multi-wavelength Anomalous Diffraction method、MAD 法)、単波長異常分散法 (Single-wavelength Anomalous Diffraction method、SAD 法)、Sulfur (Native)-SAD (S-SAD) 法などが代表的な方法です。いずれも結晶中の特定の位置に異常散乱原子が存在していることが必要です。どの手法が適しているかはタンパク質によって異なるため、ご相談しながら検討を行います。当社には、新規フォールドのタンパク質構造の解析実績を有する研究者が複数在籍しており、様々なトラブルに対処可能です。

金属タンパク質の場合 (MAD 法、SAD 法)

鉛・銅・鉄などの金属を含むタンパク質結晶の場合、そのまま MAD 法や SAD 法が適用可能です。

金属タンパク質ではない場合①(結晶に金属を導入)

金属を保有しないタンパク質の場合は、結晶を金・白金・水銀などと共結晶化またソーキングして重金属誘導体結晶を作成することができます。ただし、この手法では多数の良質の結晶が必要です。理由として、回折実験で得られる異常散乱シグナルは小さく、位相決定に十分なデータを得るためには多重度 Multiplicity を大きくとる、つまり多くのデータを同型性が高い複数の結晶もしくは一つの結晶から測定する必要があります。さらに実験位相決定には、金、白金、水銀等の重原子化合物がよく用いられますが、利用可能な重原子化合物は 30 種以上あります。そのため、どの化合物が目的タンパク質に結合するのか確かめるスクリーニングを異常散乱シグナル解析や蛍光 X 線計測などと共に行う必要があります。

金属タンパク質ではない場合②(セレノメチオニン置換体)

金属を保有しないタンパク質に使える 2 番目の方法として、

タンパク質発現時にセレン置換アミノ酸（メチオニンやシステインの硫黄をセレンに置換したアミノ酸）を導入した非天然タンパク質を用いて結晶を作成する方法もあります。この場合、セレンを含むアミノ酸位置を特定できるため、構造モデリングにも有用な情報を得ることができます。

3. サンプルの準備

金属タンパク質の場合（MAD 法、SAD 法）

通常通りの結晶化を行います。

金属タンパク質ではない場合①(結晶に金属を導入)

結晶の重原子溶液ソーキングや重金属原子との共結晶化を行い、異常散乱原子を導入手法した多数の良質の結晶を得ます。導入する重原子として、使われる頻度の高い、金、白金、水銀から試します。重原子の導入には出来るだけ高濃度の溶液条件が望ましいですが、結晶破壊やタンパク質変性などの問題が多くあるため、サンプル毎にソーキング条件を調製します。

4. 回折実験

導入した異常散乱原子に対応した波長を用いたシンクロトロン放射光での回折実験を行います。MAD 法では複数（通常 2 波長から 3 波長）の、SAD 法では単一の波長（吸収端の波長）での測定を波長が変更できるシンクロトロン放射光施設にて実施します。どの手法においても異常散乱シグナルを解析し、位相を決定するには通常の測定よりも

5. データ処理からモデリングまで

取得した異常散乱シグナルを含むデータセットを、各種解析ソフトウェア（CCP4、Phenix など）を用いて処理し、初期位相を決定することで、電子密度マップを描画します。得られた電子密度マップに対して、アミノ酸配列、 α ヘリックスや β シートなどの二次構造、重原子の電子密度など

金属タンパク質ではない場合③(S-SAD 法)

金属を保有しないタンパク質に使える 3 番目の方法として、S-SAD 法があります。この方法は、天然のタンパク質に含まれるメチオニンやシステインの硫黄原子の異常散乱を利用することで位相決定を行う方法です。ただし使える条件は限定され、十分な結晶サイズ、高分解能、対称性が高い空間群などの良い条件が揃った場合に限られます。

金属タンパク質ではない場合③(S-SAD 法)

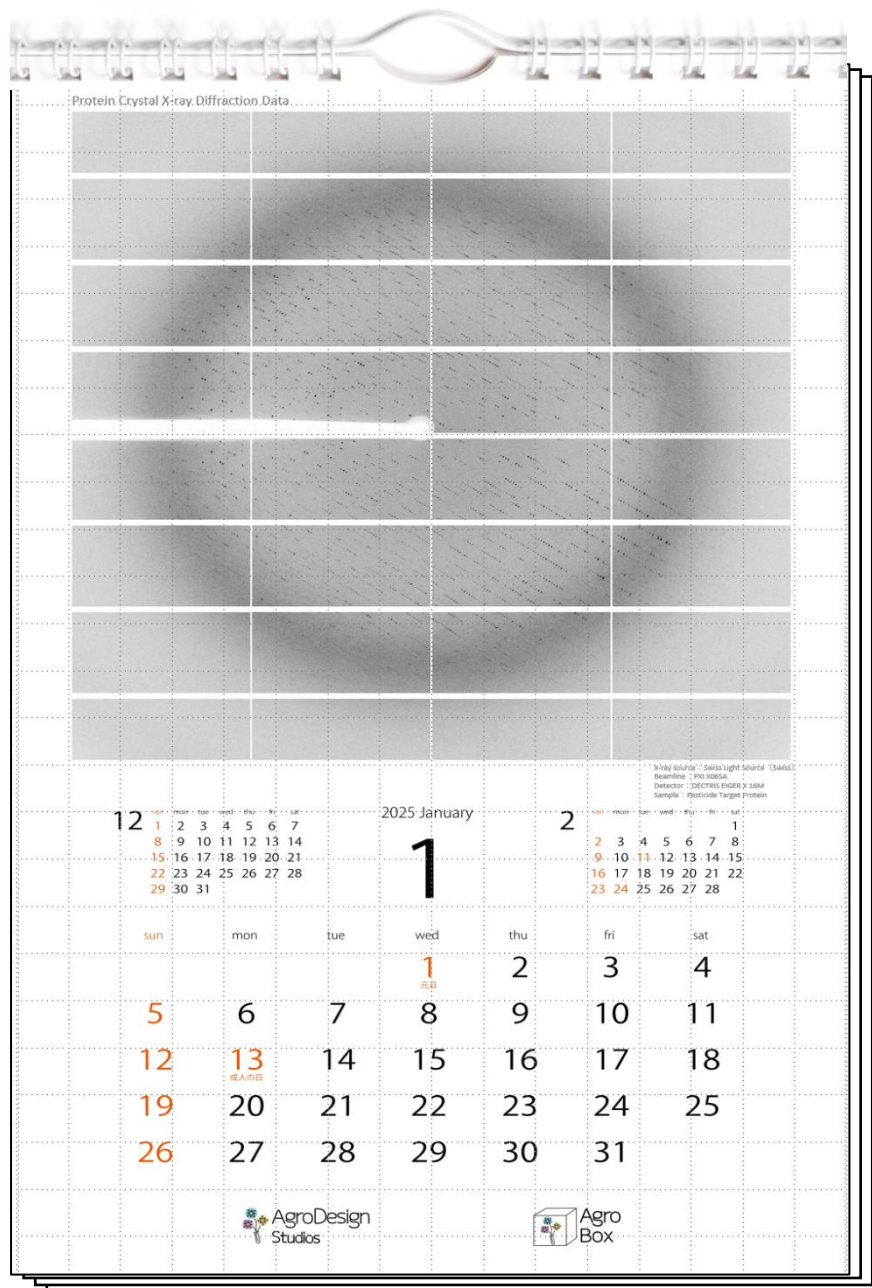
セレンメチオニン置換体タンパク質結晶の作成は、確実な異常散乱原子導入手法です。一方、タンパク質の大量発現時で非天然アミノ酸をタンパク質合成系に取り込ませるため、タンパク質の性質が変化することがあります。その場合、発現・精製や結晶化の条件の再探索を行います。
※セレンメチオニン置換体タンパク質発現を含めたタンパク質発現・精製用 AgroBox®は、別途お問い合わせください。

金属タンパク質ではない場合③(S-SAD 法)

通常通りの結晶化を行います。

多くのデータセットが必要となるため、測定時間も長くなります。また、特に長波長 X 線を使用した測定が必須の S-SAD 法を行う際には、ノイズを軽減するための特別なセットアップが必要となります。結晶のソーキングで異常散乱原子の導入を行った場合、必要に応じて各重原子の吸収端波長を用いた蛍光 X 線の測定を行います。

の情報をもとにして、ゼロからのタンパク質モデル構築を行います。類似構造を用いる分子置換法による構造解析に比べ、モデリングの難易度は格段に高くなりますが、経験豊富な当社研究者にお任せください。



X-ray Diffraction Calendar

2025 年版 無料進呈中

ご希望の方は、『カレンダー希望』と明記し、お名前・住所と共に info@agro.design まで E-mail をお送り下さい。

AgroDesign × BioStartup Collaboration



株式会社アグロデザイン・スタジオでは、他分野のバイオスタートアップと積極的にコラボレーションを行うことで、革新的なサービス提供を行って参ります。

構造解析をもっと活用するために、 遺伝子解析にも挑戦しませんか？



解析プラットフォーム「ANCAT」を開発・運営する株式会社アンプラットがお客様の研究に
欠かせない解析業務の内製化を支援します。

研究をよりもっと深く、効率的に。



構造解析の前段階として 遺伝子解析を取り入れてみませんか？

(株)アグロデザイン・スタジオの「AgroBox®」では、**サンプルや情報を送るだけで手軽に構造解析が可能**ですが、せっかく構造解析を行うのであれば、前段階で遺伝子解析をすることをオススメします！



タンパク質の構造解析の前段階として遺伝子解析を追加すると、どの構造が注目すべきかを特定することができ、**構造解析のターゲットを明確に**することができます。また、解析対象をあらかじめ遺伝子レベルで絞り込むことで解析の**試行錯誤が減り、時間とコストを削減**することができ、**構造解析のプロセス効率化**を実現します！

遺伝子解析を依頼しつつ、将来的には内製化したい...という方へ！

解析を内製するために必要な人材育成や解析環境の構築を支援します！

遺伝子解析は、高度な専門知識を必要とする構造解析とは異なり、ITの知識を身に付けることで研究者自身での内製化も可能な解析です。

アンプラットでは、将来的に遺伝子解析を内製化するために、バイオインフォマティクスについて学びながら解析をしたいという要望に応えます！

お客様のご要望や研究環境の課題を洗い出し、最適な研究環境の構築や研究効率の最適化にコミットする「Labo DX 支援サービス」をご用意しています。

ITの専門知識がなくても解析可能！

プラン	価格 (アカデミア価格あり)	備考
オンライン情シス貸し出しサービス	300,000円~/月	研究室、チーム単位での料金
クラウド解析環境導入支援	100,000円~/1事例	研究室、チーム単位での料金
実態調査	50,000円~/1日	実態調査は必須で行います。

急速に進化を遂げるIT技術により、いまや研究で取り扱うデータ量は非常に膨大です。そのため、研究者がデータ解析を行う場合、自身の研究分野の専門知識とは別に**ITの専門知識も求められる**ようになりました。

「Labo DX 支援サービス」では、現場を知り尽くしたプロのバイオインフォマティシャンが、サーバの導入やシステム的环境構築などの解析環境の内製化に向けた整備を行います。また、ITの専門知識が不要で解析可能なプラットフォーム「ANCAT」の導入で解析自体を簡単にします。



【お申し込みからサービス開始までの流れ】「アグロデザイン・スタジオのパンフレット見た！」で、事前調査費用が10%OFFです！



1. 無料相談 左のQRコードよりお申し込み
2. 当社にて社内精査、事前調査費用を確定
3. 事前調査費用を当社までお振込み
4. 実態調査 当社スタッフが貴社を訪問し現地調査
5. 改善提案、個別見積
6. 提案内容に満足いただけたら、DX開始

ありとあらゆる解析手法をあなたのお手元に

価格

解析や契約により異なる。ご利用方法に合わせた
お得なプランをご提案いたします。

解析プラットフォーム ANCAT

マウスクリックによる簡単操作で、画面に沿って操作するだけで
解析可能なシステムで、ITの専門知識や環境構築は不要です。

また、解析の実行以外にも解析手法の共有や研究者自身の
解析手法や研究室独自の解析手法を用いた解析プラットフォームの
運営など、解析に関わることがこのシステムですべて対応可能です。
クラウド上ですべての解析が実行可能なため、**共同研究の場としても
利用可能です。**

「ANCAT」を活用することで、解析自体を簡単に行うことができるため、
研究者自身がこれまでの研究と並行してデータ解析を行えるようになります！



アグロデザイン・スタジオとの協業セクションも！
遺伝子配列からタンパク質のX線結晶の構造までを
解析のプロが最強のタグを組んで解析します！

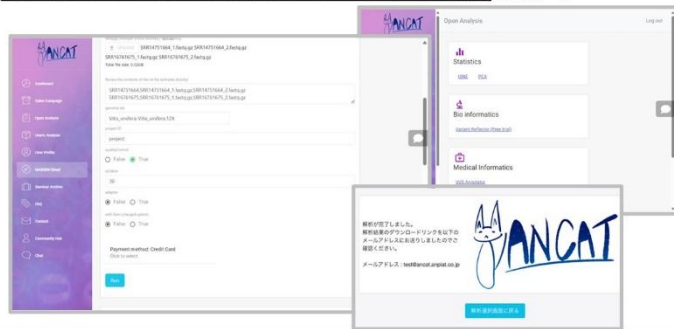
画面に従って操作するだけで
簡単に解析が実行可能です！

「アグロデザイン・スタジオのパンフレット見た！」で、
最初の解析において、
有償サポートプランと同様のサポートを無料提供します！

【実行までの3ステップ】

- ① 解析したいデータを選択
- ② パラメーターや比較データを設定
- ③ 解析開始ボタンをクリック

ANCATはこちら ▶



解析サポートサービスも充実！



これまで解析を実行したことがない方や、解析に不慣れな方でもスムーズに、
安心して解析いただくためのサポートサービスもご用意しています。

解析実行時のちょっとした疑問やお困りごとの解決はもちろん、
バイオインフォマティクスについて学びたい方への学習支援や
学びながら解析の内製化も視野に入りたい方向けのサポートなど
より研究に没頭するためのサービスです。

解析実行までの難関となる難しい環境構築の支援や実行サポートはもちろん、
出力された解析結果の解説やフィードバックも行っていますので、
内製化に向けた専門人材の育成にも活用いただけます。

プラン

価格 (アカデミア価格あり) | 備考

基本月額料金

300,000円～

研究室、チーム単位での契約

株式会社アンプラット

Web: <https://anplat.co.jp>

創業：2021年2月17日

〒220-8107 神奈川県横浜市西区みなとみらい2-2-1 横浜ランドマークタワー7階

※お問い合わせは、上記連絡先へ直接、または(株)アグロデザイン・スタジオまで。

今後販売予定の AgroBox®



【X線結晶構造解析】

- ・結晶フィッシング代行
- ・膜タンパク質構造解析（LCP法）

【タンパク質発現・精製】

- ・大腸菌発現系
- ・セレノメチオニン置換タンパク質作製
- ・NMR用同位体ラベル化タンパク質作製

※Sf9発現系は別途お問い合わせください。

【Swiss Light Source 提携サービス】

- ・フラグメント・スクリーニング

【溶液 NMR 解析】

- ・¹⁹F NMR（相互作用解析）
- ・NMRによるタンパク質の相互作用解析
- ・タンパク質の NMR 構造解析(30 kDa 以下)

※溶液 NMR 解析は、現在でも対応可能な場合があります。別途お問合せ下さい。

【*in silico* 解析】

- ・ファーマコフォアサーチ
- ・ドッキング・シミュレーション
- ・分子動力学計算（Molecular Dynamics）
- ・フラグメント分子軌道法（FMO）

【その他実験】

- ・Octet（相互作用解析）
- ・蛍光偏光スクリーニング用分子プローブ設計
- ・クライオ電顕解析
- ・生化学アッセイ（キットが販売されているもの）

※クライオ電顕解析は、現在でも対応可能な場合があります。別途お問合せ下さい。

【ラボ自動化】

- ・UFactory 社製 ロボットアーム xArm シリーズ

※当社は UFactory 社の正規代理店です。別途お問合せ下さい。



会社概要



社名	株式会社アグロデザイン・スタジオ
英社名	AgroDesign Studios®
社名略称	AgDS
サービス名	AgroBox®
住所	〒277-0882 千葉県柏市柏の葉 6 丁目 2 番地 3 東京大学 柏 II キャンパス 産学官民連携棟 303 (東京大学ベンチャー・インキュベーション施設アントレプレナーハブ内 専用オフィス&ラボ)
会社 Web	https://www.agrodesign.co.jp
AgroBox® web	https://agrobox.jp
E-mail	AgroBox®のお問合せ：sales@agrobox.jp その他のお問合せ：info@agro.design
設立日	2018 年 3 月 30 日
法人番号	5050001044210
資本金など	資本金：58,000,421 円、資本準備金：141,158,381 円
会社代表	代表取締役社長 西ヶ谷有輝

※AgroDesign Studios®及び AgroBox®は、株式会社アグロデザイン・スタジオの登録商標です。



ホシザキユキノシタ：当社創業の地、つくば市（筑波山）の固有種。筑波山山頂付近、筑波山神社境内、またはつくば実験植物園で見ることができます（当社撮影：当社ロゴは、ホシザキユキノシタを図案化したしました）。

核酸の構造解析 サービス開始

- DNA
- RNA
- 核酸-低分子複合体
- タンパク質-核酸複合体

(株)アグロデザイン・スタジオの構造解析サービスAgroBox®に
核酸の構造解析が加わりました

株式会社アグロデザイン・スタジオ



〒277-0882 千葉県柏市柏の葉六丁目2番地3 東京大学柏IIキャンパス産学官民連携棟 303
(東京大学ベンチャー・インキュベーション施設 アントレプレナーハブ内)

<https://www.agrodesign.co.jp>

AgroBox®事業部

【Web】 <https://agrobox.jp>

【E-mail】 sales@agrobox.jp



X @agrobox_

本パンフレット記載のサービスは、試験・研究用です。ヒトや動物への治療、もしくは診断目的としては使用できません。製品・サービスの品目、製品情報、価格などは予告なく変更される場合がございます。実際の価格、最新のサービス内容は、メールまたはウェブサイトにてお問い合わせください。なお、最新のパンフレットおよび価格表は、ウェブサイトよりダウンロード可能です(パンフレット表紙左下にリリース日の記載がございます)。本パンフレットに記載されている会社名、製品名などは、一般に各社の登録商標または商標です。本パンフレットは、株式会社アグロデザイン・スタジオの著作物になります。無断転載などはご遠慮ください。AgroDesign Studios®及びAgroBox®は、株式会社アグロデザイン・スタジオの登録商標です。

©2023-2025 AgroDesign Studios®. All rights reserved.